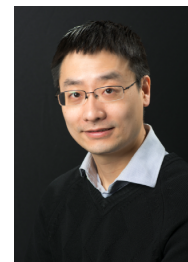


Jing Tang
Tohtori
Suomen molekyyliilääketieteen instituutti
!!Postal address:
Suomi
!!Email: jing.tang@helsinki.fi



Pätevyudet

Biometry, Docentship, Helsingin yliopisto
Myöntöpäivä: 1 helmik. 2016

Statistics, PhD, Bayesian statistical analysis of bacterial populations, Helsingin yliopisto
Myöntöpäivä: 15 kesäk. 2009

Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 16.02.2016 - 31.08.2019 organisaatiossa Suomen molekyyliilääketieteen instituutti

Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 19.02.2016 - * organisaatiossa Medicum

Julkaisut

Proposal for a framework of contextual metadata in selected research infrastructures of the life sciences and the social sciences & humanities: International Journal of Metadata, Semantics and Ontologies

Ohmann, C., Panagiotopoulou, M., Canham, S., Holub, P., Majcen, K., Saunders, G., Fratelli, M., Tang, J., Gribbon, P., Karki, R., Kleemola, M., Moilanen, K., Broeder, D., Daelemans, W. & Fivez, P., 31 heinäk. 2024, julkaisussa: International Journal of Metadata, Semantics and Ontologies. 16, 4, s. 261-277 17 Sivumäärä

SAFER: sub-hypergraph attention-based neural network for predicting effective responses to dose combinations

Tang, Y.-C., Li, R., Tang, J., Zheng, W. J. & Jiang, X., 30 heinäk. 2024, julkaisussa: BMC Bioinformatics. 25, 1, 19 Sivumäärä, 250.

Herb-CMap: a multimodal fusion framework for deciphering the mechanisms of action in traditional Chinese medicine using Suhuang antitussive capsule as a case study

Wang, Y., Sui, Y., Yao, J., Jiang, H., Tian, Q., Tang, Y., Ou, Y., Tang, J. & Tan, N., 29 heinäk. 2024, julkaisussa: Briefings in Bioinformatics. 25, 5, 12 Sivumäärä, bbae362.

Mining drug-target interactions from biomedical literature using chemical and gene descriptions-based ensemble transformer model

Aldahdooh, J., Tanoli, Z. & Tang, J., 24 heinäk. 2024, julkaisussa: Bioinformatics advances. 4, 1, 13 Sivumäärä, vbae106.

The combination therapy using tyrosine kinase receptors inhibitors and repurposed drugs to target patient-derived glioblastoma stem cells

Kucinska, M., Pospieszna, J., Tang, J., Lisiak, N., Toton, E., Rubis, B. & Murias, M., 13 kesäk. 2024, julkaisussa: Biomedicine & Pharmacotherapy. 176, 26 Sivumäärä, 116892.

Opening the black box: spatial transcriptomics and the relevance of AI-detected prognostic regions in high grade serous carcinoma

Laury, A. R., Zheng, S., Aho, N., Fallegger, R., Hänninen, S., Saez-Rodriguez, J., Tanevski, J., Youssef, O., Tang, J. & Carpen, O. M., 3 toukok. 2024, julkaisussa: Modern Pathology. 37, 7, 12 Sivumäärä, 100508.

A critical assessment of Traditional Chinese Medicine databases as a source for drug discovery

Wang, Y., Liu, M., Jafari, M. & Tang, J., 26 huhtik. 2024, julkaisussa: Frontiers in Pharmacology. 15, 14 Sivumäärä, zrae025.

BPR3P0128, a non-nucleoside RNA-dependent RNA polymerase inhibitor, inhibits SARS-CoV-2 variants of concern and exerts synergistic antiviral activity in combination with remdesivir

Tang, Y.-F., Chang, Y.-H., Lin, C.-C., Jheng, J.-R., Hsieh, C.-F., Chin, Y.-F., Chang, T.-Y., Lee, J.-C., Liang, P.-H., Lin, C.-Y., Lin, G.-H., Cai, J.-Y., Chen, Y.-L., Chen, Y.-S., Tsai, S.-K., Liu, P.-C., Yang, C.-M., Shadbahr, T., Tang, J. & Hsu, Y.-L. & 8 muuta, Huang, C.-H., Wang, L.-Y., Kau, J.-H., Hung, Y.-J., Lee, H.-Y., Wang, W.-C., Tsai, H.-P. & Horng, J.-T., huhtik. 2024, julkaisussa: Antimicrobial Agents and Chemotherapy. 68, 4, 26 Sivumäärä, e00956-23.

Outline and Background for the EU-OS Solubility Prediction Challenge

Wang, W., Tang, J. & Zaliani, A., 20 maalisk. 2024, julkaisussa: SLAS discovery . 29, 4, 5 Sivumäärä, 100155.

The regulatory relationship between NAMPT and PD-L1 in cancer and identification of a dual-targeting inhibitor

Yang, Y., Li, Z., Wang, Y., Gao, J., Meng, Y., Wang, S., Zhao, X., Tang, C., Yang, W., Li, Y., Bao, J., Fan, X., Tang, J., Yang, J., Wu, C., Qin, M. & Wang, L., 4 maalisk. 2024, julkaisussa: EMBO molecular medicine. 16, 4, s. 885-903 19 Sivumäärä

A community challenge to predict clinical outcomes after immune checkpoint blockade in non-small cell lung cancer

Mason, M., Lapuente-Santana, Ó., Halkola, A. S., Wang, W., Mall, R., Xiao, X., Kaufman, J., Fu, J., Pfeil, J., Banerjee, J., Chung, V., Chang, H., Chasalow, S. D., Lin, H. Y., Chai, R., Yu, T., Finotello, F., Mirtti, T., Mäyränpää, M. I. & Bao, J. & 25 muuta, Verschuren, E. W., Ahmed, E. I., Ceccarelli, M., Miller, L. D., Monaco, G., Hendrickx, W. R. L., Sherif, S., Yang, L., Tang, M., Gu, S. S., Zhang, W., Zhang, Y., Zeng, Z., Das Sahu, A., Liu, Y., Yang, W., Bedognetti, D., Tang, J., Eduati, F., Laajala, T. D., Geese, W. J., Guinney, J., Szustakowski, J. D., Vincent, B. G. & Carbone, D. P., 21 helmik. 2024, julkaisussa: Journal of Translational Medicine. 22, 1, 16 Sivumäärä, 190.

Tracing back primed resistance in cancer via sister cells

Dai, J., Zheng, S., Falco, M. M., Bao, J., Eriksson, J., Pikkusaari, S., Forstén, S., Jiang, J., Wang, W., Gao, L., Perez-Villatoro, F., Dufva, O., Saeed, K., Wang, Y., Amirousetfi, A., Färkkilä, A., Mustjoki, S., Kauppi, L., Tang, J. & Vähärautio, A., 7 helmik. 2024, julkaisussa: Nature Communications. 15, 1, 14 Sivumäärä, 1158.

TransScore: a graph model for pose scoring and affinity prediction based on transformer convolution network

Lei, C., Wang, W., Fan, W., Lu, Z., Tang, J. & Li, M., 2024, (E-pub ahead of print) julkaisussa: IEEE Journal of Biomedical and Health Informatics. s. 1-9 9 Sivumäärä

The Interplay Between HIF-1 α and EZH2 in Lung Cancer and Dual-Targeted Drug Therapy

Wang, J., Yang, C., Xu, H., Fan, X., Jia, L., Du, Y., Liu, S., Wang, W., Zhang, J., Zhang, Y., Wang, X., Liu, Z., Bao, J., Li, S., Yang, J., Wu, C., Tang, J., Chen, G. & Wang, L., 9 jouluk. 2023, julkaisussa: Advanced Science. 16 Sivumäärä, 2303904.

"Be sustainable": EOSC-Life recommendations for implementation of FAIR principles in life science data handling

David, R., Rybina, A., Burel, J.-M., Heriche, J.-K., Audergon, P., Boiten, J.-W., Coppens, F., Crockett, S., Exter, K., Fahrner, S., Fratelli, M., Goble, C., Gormanns, P., Grantner, T., Grüning, B., Gurwitz, K. T., Hancock, J. M., Harmse, H., Holub, P. & Juty, N. & 39 muuta, Karnbach, G., Karoune, E., Keppler, A., Klemeier, J., Lancelotti, C., Legras, J.-L., Lister, A. L., Longo, D. L., Ludwig, R., Madon, B., Massimi, M., Matser, V., Matteoni, R., Mayrhofer, M. T., Ohmann, C., Panagiotopoulou, M., Parkinson, H., Perseil, I., Pfander, C., Pieruschka, R., Raess, M., Rauber, A., Richard, A. S., Romano, P., Rosato, A., Sánchez-Pla, A., Sansone, S.-A., Sarkans, U., Serrano-Solano, B., Tang, J., Tanoli, Z., Tedds, J., Wagener, H., Weise, M., Westerhoff, H. V., Wittner, R., Ewbank, J., Blomberg, N. & Gribbon, P., 15 marrask. 2023, julkaisussa: EMBO Journal. 23 Sivumäärä, e115008.

Resolving network clusters disparity based on dissimilarity measurements with nonmetric analysis of variance

Malyutina, A., Tang, J. & Amirousetfi, A., 15 marrask. 2023, julkaisussa: iScience. 26, 11, 108354.

A pharmacophore-guided deep learning approach for bioactive molecular generation

Zhu, H., Zhou, R., Cao, D., Tang, J. & Li, M., 6 lokak. 2023, julkaisussa: Nature Communications. 14, 1, 11 Sivumäärä, 6234.

The Impact of Computational Drug Discovery on Society

Wang, J., Li, M., Wang, E., Tang, J. & Hu, B., 1 lokak. 2023, julkaisussa: IEEE transactions on computational social systems. 10, 5, s. 2148-2159 12 Sivumäärä

Synergistic interactions of cytarabine-adavosertib in leukemic cell lines proliferation and metabolomic endpoints

Rodríguez-Vázquez, G. O., Díaz-Quiñones, A. O., Chorna, N., Salgado-Villanueva, I. K., Tang, J., Ortiz, W. I. S. & Maldonado, H. M., lokak. 2023, julkaisussa: Biomedicine & Pharmacotherapy. 166, 14 Sivumäärä, 115352.

The impact of imputation quality on machine learning classifiers for datasets with missing values

AIX-COVNET Collaboration, Shadbahr, T., Roberts, M., Stanczuk, J., Gilbey, J., Teare, P., Dittmer, S., Thorpe, M., Torné, R. V., Sala, E., Lió, P., Patel, M., Preller, J., Selby, I., Breger, A., Weir-McCall, J. R., Gkrania-Klotsas, E., Korhonen, A., Jefferson, E. & Langa, G. & 13 muuta, Yang, G., Prosch, H., Babar, J., Escudero Sánchez, L., Wassin, M., Holzer, M., Walton, N., Rudd, J. H. F., Mirtti, T., Rannikko, A. S., Aston, J. A. D., Tang, J. & Schönlieb, C.-B., lokak. 2023, julkaisussa: Communications Medicine. 3, 1, 15 Sivumäärä, 139.

Historic and transcriptomic features of MRI-visible and invisible clinically significant prostate cancers are associated with prognosis

Lehto, T.-P. K., Pylväläinen, J., Sandeman, K., Kenttämies, A., Nordling, S., Mills, I. G., Tang, J., Mirtti, T. & Rannikko, A., 28 syysk. 2023, julkaisussa: International Journal of Cancer. 14 Sivumäärä

A pipeline to further enhance quality, integrity and reusability of the NCCID clinical data

Breger, A., Selby, I., Roberts, M., Babar, J., Gkrania-Klotsas, E., Preller, J., Escudero Sánchez, L., Dittmer, S., Thorpe, M., Gilbey, J., Jefferson, E., Langa, G., Yang, G., Xing, X., Nan, Y., Li, M., Prosch, H., Stanczuk, J., Tang, J. & Teare, P. & 14 muuta, Patel, M., Wassink, M., Holzer, M., Solares, E. G., Walton, N., Lió, P., Shadbahr, T., Rudd, J. H. F., Aston, J. A. D., Weir-McCall, J. R., Sala, E., Schönlieb, C.-B., Korhonen, A. & Collaboration, A.-C., 27 heinäk. 2023, julkaisussa: Scientific data . 10, 1, 16 Sivumäärä, 493.

Editorial: Functional screening for cancer drug discovery: from experimental approaches to data integration

Zhou, K., Wang, W. & Tang, J., 6 heinäk. 2023, julkaisussa: Frontiers in Genetics. 14, 3 Sivumäärä, 1201454.

Navigating the development challenges in creating complex data systems

Dittmer, S., Roberts, M., Gilbey, J., Biguri, A., Selby, I., Breger, A., Thorpe, M., Weir-McCall, J. R., Gkrania-Klotsas, E., Korhonen, A., Jefferson, E., Langa, G., Yang, G., Prosch, H., Stanczuk, J., Tang, J., Babar, J., Escudero Sánchez, L., Teare, P. & Patel, M. & 10 muuta, Wassin, M., Holzer, M., Walton, N., Lió, P., Shadbahr, T., Sala, E., Preller, J., Rudd, J. H. F., Aston, J. A. D. & Schönlieb, C.-B., heinäk. 2023, julkaisussa: Nature Machine Intelligence. 5, 7, s. 681-686 6 Sivumäärä

GraphscoreDTA: optimized graph neural network for protein-ligand binding affinity prediction

Wang, K., Zhou, R., Tang, J. & Li, M., 1 kesäk. 2023, julkaisussa: Bioinformatics. 39, 6, 9 Sivumäärä, btad340.

Harmonizing across datasets to improve the transferability of drug combination prediction

Zhang, H., Wang, Z., Nan, Y., Zagidullin, B., Yi, D., Tang, J. & Guan, Y., 11 huhtik. 2023, julkaisussa: Communications Biology. 6, 1, 10 Sivumäärä, 397.

drda: An R Package for Dose-Response Data Analysis Using Logistic Functions

Malyutina, A., Tang, J. & Pessia, A., maalisk. 2023, julkaisussa: Journal of Statistical Software. 106, 4, s. 1-26 26 Sivumäärä

[C-11]carfentanil PET imaging for studying the peripheral opioid system in vivo: effect of photoperiod on mu-opioid receptor availability in brown adipose tissue

Sun, L., Aarnio, R., Herre, E. A., Kärnä, S., Palani, S., Virtanen, H., Liljenbäck, H., Virta, J., Honkaniemi, A., Oikonen, V., Han, C., Laurila, S., Bucci, M., Helin, S., Yarkin, E., Nummenmaa, L., Nuutila, P., Tang, J. & Roivainen, A., tammik. 2023, julkaisussa: European Journal of Nuclear Medicine and Molecular Imaging. 50, 2, s. 266-274 9 Sivumäärä

Drug repositioning with adaptive graph convolutional networks

Sun, X., Jia, X., Lu, Z., Tang, J. & Li, M., 2023, julkaisussa: Bioinformatics. 9 Sivumäärä, btad748.

Endothelial TIE1 Restricts Angiogenic Sprouting to Coordinate Vein Assembly in Synergy With Its Homologue TIE2

Cao, X., Li, T., Xu, B., Ding, K., Li, W., Shen, B., Chu, M., Zhu, D., Rui, L., Shang, Z., Li, X., Wang, Y., Zheng, S., Alitalo, K., Liu, G., Tang, J., Kubota, Y. & He, Y., 2023, julkaisussa: *Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology*. 43, 8, s. e323–e338 16 Sivumäärä

Special Issue on Network Pharmacology Modeling for Drug Discovery

Tang, J., 2023, julkaisussa: *Processes*. 11, 7, 4 Sivumäärä, 1988.

SynergyFinder Plus: Toward Better Interpretation and Annotation of Drug Combination Screening Datasets

Zheng, S., Wang, W., Aldahdooh, J., Malyutina, A., Shadbahr, T., Tanoli, Z., Pessia, A. & Tang, J., 20 jouluk. 2022, julkaisussa: *Genomics, Proteomics & Bioinformatics*. 20, 3, s. 587-596 10 Sivumäärä

DrugRepo: a novel approach to repurposing drugs based on chemical and genomic features

Wang, Y., Aldahdooh, J., Hu, Y., Yang, H., Vähä-Koskela, M., Tang, J. & Tanoli, Z., jouluk. 2022, julkaisussa: *Scientific Reports*. 12, 1, 13 Sivumäärä, 21116.

Interpretable prognostic modeling of endometrial cancer

Zagidullin, B., Pasanen, A., Loukovaara, M., Bützow, R. & Tang, J., jouluk. 2022, julkaisussa: *Scientific Reports*. 12, 1, 11 Sivumäärä, 21543.

Using BERT to identify drug-target interactions from whole PubMed

Aldahdooh, J., Vähä-Koskela, M., Tang, J. & Tanoli, Z., 21 kesäk. 2022, julkaisussa: *BMC Bioinformatics*. 23, 1, 13 Sivumäärä, 245.

The ENDS of assumptions; an online tool for the Epistemic Nonparametric Drug-response Scoring

Amiryousefi, A., Williams, B., Jafari, M. & Tang, J., kesäk. 2022, julkaisussa: *Bioinformatics*. 38, 11, s. 3132-3133 2 Sivumäärä

Bipartite network models to design combination therapies in acute myeloid leukaemia

Jafari, M., Mirzaie, M., Bao, J., Barneh, F., Zheng, S., Eriksson, J., Heckman, C. A. & Tang, J., 19 huhtik. 2022, julkaisussa: *Nature Communications*. 13, 1, 12 Sivumäärä, 2128.

Antitumoral Effect of Plocabulin in High Grade Serous Ovarian Carcinoma Cell Line Models

Heredia-Soto, V., Escudero, J., Miguel, M., Ruiz, P., Gallego, A., Berjón, A., Hernández, A., Martínez-Díez, M., Zheng, S., Tang, J., Hardisson, D., Feliu, J., Redondo, A. & Mendiola, M., 17 maalisk. 2022, julkaisussa: *Frontiers in oncology*. 12, 10 Sivumäärä, 862321.

Bayes in Wonderland! Predictive Supervised Classification Inference Hits Unpredictability

Amiryousefi, A., Kinnula, V. & Tang, J., maalisk. 2022, julkaisussa: *Mathematics*. 10, 5, 11 Sivumäärä, 828.

Prognosis Stratification Tools in Early-Stage Endometrial Cancer: Could We Improve Their Accuracy?

Ramon-Patino, J. L., Ruz-Caracuel, I., Heredia-Soto, V., Garcia de la Calle, L. E., Zagidullin, B., Wang, Y., Berjon, A., Lopez-Janeiro, A., Miguel, M., Escudero, J., Gallego, A., Castelo, B., Yebenes, L., Hernandez, A., Feliu, J., Pelaez-García, A., Tang, J., Hardisson, D., Mendiola, M. & Redondo, A., helmik. 2022, julkaisussa: *Cancers*. 14, 4, 14 Sivumäärä, 912.

A community challenge for a pancancer drug mechanism of action inference from perturbational profile data

Douglass Jr., E. F., Allaway, R. J., Szalai, B., Wang, W., Tian, T., Fernández-Torras, A., Realubit, R., Karan, C., Zheng, S., Pessia, A., Tanoli, Z., Jafari, M., Wan, F., Li, S., Xiong, Y., Duran-Frigola, M., Bertoni, M., Badia-i-Mompel, P., Mateo, L. & Guitart-Pla, O. & 8 muuta, Chung, V., Tang, J., Zeng, J., Aloy, P., Saez-Rodriguez, J., Guinney, J., Gerhard, D. S. & Califano, A., 18 tammik. 2022, julkaisussa: *Cell Reports Medicine*. 3, 1, 20 Sivumäärä, 100492.

Minimal information for chemosensitivity assays (MICHA): a next-generation pipeline to enable the FAIRification of drug screening experiments

Tanoli, Z., Aldahdooh, J., Alam, F., Wang, Y., Seemab, U., Fratelli, M., Pavlis, P., Hajduch, M., Bietrix, F., Gribbon, P., Zaliani, A., Hall, M. D., Shen, M., Brimacombe, K., Kuleskiy, E., Saarela, J., Wennerberg, K., Vähä-Koskela, M. & Tang, J., tammik. 2022, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 23, 1, 7 Sivumäärä, 350.

Application of microfluidic chips in anticancer drug screening

Fan, X.-Y., Deng, Z.-F., Yan, Y.-Y., E. Orel, V., Shypko, A., B. Orel, V., Ivanova, D., Pilarsky, C., Tang, J., Chen, Z.-S. & Zhang, J.-Y., 2022, julkaisussa: *Bosnian Journal of Basic Medical Sciences*. 22, 3, s. 302-314 13 Sivumäärä

Eribulin activity in soft tissue sarcoma monolayer and three-dimensional cell line models: could the combination with other drugs improve its antitumoral effect?

Escudero, J., Heredia-Soto, V., Wang, Y., Ruiz, P., Hu, Y., Gallego, A., Pozo-Kreilinger, J. J., Martinez-Marin, V., Berjon, A., Ortiz-Cruz, E., Bernabeu, D., Feliu, J., Tang, J., Redondo, A. & Mendiola, M., 4 jouluk. 2021, julkaisussa: *Cancer Cell International*. 21, 1, 11 Sivumäärä, 646.

Vascular adhesion protein-1 defines a unique subpopulation of human hematopoietic stem cells and regulates their proliferation

Iftakhar-e-Khuda, I., Pessia, A., Zheng, S., Kankainen, M., Kontro, M., Karikoski, M., Laurila, J., Gerke, H., Tadayon, S., Hollmén, M., Tang, J., Imhof, B. A., Salmi, M. & Jalkanen, S., jouluk. 2021, julkaisussa: *Cellular and Molecular Life Sciences*. 78, 23, s. 7851–7872 22 Sivumäärä

Drug repurposing for COVID-19 using graph neural network and harmonizing multiple evidence

Hsieh, K., Wang, Y., Chen, L., Zhao, Z., Savitz, S., Jiang, X., Tang, J. & Kim, Y., 30 marrask. 2021, julkaisussa: *Scientific Reports*. 11, 1, 13 Sivumäärä, 23179.

Network-guided identification of cancer-selective combinatorial therapies in ovarian cancer

He, L., Bulanova, D., Oikkonen, J., Häkkinen, A., Zhang, K., Zheng, S., Wang, W., Erkan, E. P., Carpén, O., Joutsiniemi, T., Hietanen, S., Hynninen, J., Huhtinen, K., Hautaniemi, S., Vähärautio, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 3 marrask. 2021, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 22, 6, 12 Sivumäärä, 272.

R-BERT-CNN: Drug-target interactions extraction from biomedical literature

Aldahdooh, J., Tanoli, Z. & Tang, J., 2 marrask. 2021, *Proceedings of the BioCreative VII Challenge Evaluation Workshop*. s. 102-106 5 Sivumäärä

Comparative analysis of molecular fingerprints in prediction of drug combination effects

Zagidullin, B., Wang, Z., Guan, Y., Pitkänen, E. & Tang, J., marrask. 2021, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 22, 6, 15 Sivumäärä, 291.

Heterogeneous modulation of Bcl-2 family members and drug efflux mediate MCL-1 inhibitor resistance in multiple myeloma

Bolomsky, A., Miettinen, J. J., Malyutina, A., Besse, A., Huber, J., Fellingner, S., Breid, H., Parsons, A., Klavins, K., Hannich, J. T., Kubicek, S., Caers, J., Hübl, W., Schreder, M., Zojer, N., Driessen, C., Tang, J., Besse, L., Heckman, C. & Ludwig, H., 26 lokak. 2021, julkaisussa: *Blood advances*. 5, 20, s. 4125-4139 15 Sivumäärä

Combination Therapy with Fluoxetine and the Nucleoside Analog GS-441524 Exerts Synergistic Antiviral Effects against Different SARS-CoV-2 Variants In Vitro

Brunotte, L., Zheng, S., Mecate-Zambrano, A., Tang, J., Ludwig, S., Rescher, U. & Schloer, S., 3 syysk. 2021, julkaisussa: *Pharmaceutics*. 13, 9, 13 Sivumäärä, 1400.

Network-based modeling of herb combinations in traditional Chinese medicine

Wang, Y., Yang, H., Chen, L., Jafari, M. & Tang, J., syysk. 2021, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 22, 5, s. 1-13 13 Sivumäärä, 106.

S100 Calcium Binding Protein Family Members Associate With Poor Patient Outcome and Response to Proteasome Inhibition in Multiple Myeloma

Liu, M., Wang, Y., Miettinen, J. J., Kumari, R., Majumder, M. M., Tierney, C., Bazou, D., Parsons, A., Suvela, M., Lievonen, J., Silvennoinen, R., Anttila, P., Dowling, P., O'Gorman, P., Tang, J. & Heckman, C. A., 16 elok. 2021, julkaisussa: *Frontiers in Cell and Developmental Biology*. 9, 14 Sivumäärä, 723016.

DrugComb update: a more comprehensive drug sensitivity data repository and analysis portal

Zheng, S., Aldahdooh, J., Shadbahr, T., Wang, Y., Aldahdooh, D., Bao, J., Wang, W. & Tang, J., 2 heinäk. 2021, julkaisussa: *Nucleic Acids Research*. 49, W1, s. W174-W184 11 Sivumäärä

RNA atlas of human bacterial pathogens uncovers stress dynamics linked to infection

Avican, K., Aldahdooh, J., Togninalli, M., Mahmud, A. K. M. F., Tang, J., Borgwardt, K. M., Rhen, M. & Fällman, M., 2 kesäk. 2021, julkaisussa: *Nature Communications*. 12, 1, 14 Sivumäärä, 3282.

A three-term recurrence relation for accurate evaluation of transition probabilities of the simple birth-and-death process

Pessia, A. & Tang, J., kesäk. 2021, julkaisussa: *BIT Numerical Mathematics*. 61, 2, s. 561–585 25 Sivumäärä

Drug synergy of combinatory treatment with remdesivir and the repurposed drugs fluoxetine and itraconazole effectively impairs SARS-CoV-2 infection in vitro

Schloer, S., Brunotte, L., Mecate-Zambrano, A., Zheng, S., Tang, J., Ludwig, S. & Rescher, U., kesäk. 2021, julkaisussa: *British Journal of Pharmacology*. 178, 11, s. 2339-2350 12 Sivumäärä

Identification of Celecoxib targeted proteins using label-free thermal proteome profiling on rat hippocampus

Gholizadeh, E., Karbalaeei, R., Khaleghian, A., Salimi, M., Gilany, K., Soliymani, R., Tanoli, Z., Rezadoost, H., Baumann, M., Jafari, M. & Tang, J., 1 toukok. 2021, julkaisussa: *Molecular pharmacology : an international journal*. 99, 5, s. 308-318 11 Sivumäärä

Common pitfalls and recommendations for using machine learning to detect and prognosticate for COVID-19 using chest radiographs and CT scans

AIX-COVNET, Roberts, M., Gozaliasl, G., Tang, J. & Shadbahr, T., maalisk. 2021, julkaisussa: *Nature Machine Intelligence*. 3, 3, s. 199-217 19 Sivumäärä

Seasonal variation in the brain mu-opioid receptor availability

Sun, L., Tang, J., Liljenbäck, H., Honkaniemi, A., Virta, J., Isojärvi, J., Karjalainen, T., Kantonen, T., Nuutila, P., Hietala, J., Kaasinen, V., Kalliokoski, K., Hirvonen, J., Scheinin, H., Helin, S., Eerola, K., Savontaus, E., Yarkin, E., Rinne, J. O. & Roivainen, A. & 1 muuta, Nummenmaa, L., 10 helmik. 2021, julkaisussa: *Journal of Neuroscience*. 41, 6, s. 1265-1273 9 Sivumäärä

Anticancer drug synergy prediction in understudied tissues using transfer learning

Kim, Y., Zheng, S., Tang, J., Jim Zheng, W., Li, Z. & Jiang, X., 15 tammik. 2021, julkaisussa: *Journal of the American Medical Informatics Association*. 28, 1, s. 42-51 10 Sivumäärä

CD73 contributes to anti-inflammatory properties of afferent lymphatic endothelial cells in humans and mice

Eichin, D., Pessia, A., Takeda, A., Laakkonen, J., Bellmann, L., Kankainen, M., Imhof, B. A., Stoitzner, P., Tang, J., Salmi, M. & Jalkanen, S., 12 tammik. 2021, julkaisussa: *European Journal of Immunology*. 51, 1, s. 231–246 16 Sivumäärä

Chloroplot: An Online Program for the Versatile Plotting of Organelle Genomes

Zheng, S., Poczai, P., Hyvönen, J., Tang, J. & Amiryousefi, A., 25 syysk. 2020, julkaisussa: *Frontiers in Genetics*. 11, 8 Sivumäärä, 576124.

Unsupervised Learning and Multipartite Network Models: A Promising Approach for Understanding Traditional Medicine

Jafari, M., Wang, Y., Amiryousefi, A. & Tang, J., 26 elok. 2020, julkaisussa: *Frontiers in Pharmacology*. 11, 10 Sivumäärä, 1319.

Can We Assume the Gene Expression Profile as a Proxy for Signaling Network Activity?

Piran, M., Karbalaeei, R., Piran, M., Aldahdooh, J., Mirzaie, M., Ansari-Pour, N., Tang, J. & Jafari, M., kesäk. 2020, julkaisussa: *Biomolecules*. 10, 6, 15 Sivumäärä, 850.

Multi-parametric single cell evaluation defines distinct drug responses in healthy hematologic cells that are retained in corresponding malignant cell types

Majumder, M. M., Leppä, A.-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Kopperud, R., Bazou, D., Andersson, E., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O., Mustjoki, S., O’Gorman, P., Wennerberg, K., Porkka, K., Gjertsen, B. T. & Heckman, C. A., kesäk. 2020, julkaisussa: *Haematologica*. 105, 6, s. 1527-1538 12 Sivumäärä

Exploration of databases and methods supporting drug repurposing: a comprehensive survey

Rehman, Z. U., Seemab, U., Scherer, A., Wennerberg, K., Tang, J. & Vähä-Koskela, M., 14 helmik. 2020, julkaisussa: Briefings in Bioinformatics. 22, 2, s. 1656-1678 23 Sivumäärä

Combined gene essentiality scoring improves the prediction of cancer dependency maps

Wang, W., Malyutina, A., Pessia, A., Saarela, J., Heckman, C. A. & Tang, J., jouluk. 2019, julkaisussa: EBioMedicine. 50, s. 67-80 14 Sivumäärä

Predicting Meridian in Chinese traditional medicine using machine learning approaches

Wang, Y., Jafari, M., Tang, Y. & Tang, J., 25 marrask. 2019, julkaisussa: PLoS Computational Biology. 15, 11, 21 Sivumäärä, 1007249.

Network pharmacology modeling identifies synergistic Aurora B and ZAK interaction in triple-negative breast cancer

Tang, J., Gautam, P., Gupta, A., He, L., Timonen, S., Akimov, Y., Wang, W., Szwajda, A., Jaiswal, A., Turei, D., Yadav, B., Kankainen, M., Saarela, J., Saez-Rodriguez, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 8 heinäk. 2019, julkaisussa: npj Systems Biology and Applications. 5, 1, 11 Sivumäärä, 20.

DrugComb: an integrative cancer drug combination data portal

Zagidullin, B., Aldahdooh, J., Zheng, S., Wang, W., Wang, Y., Saad, J., Malyutina, A., Jafari, M., Tanoli, Z., Pessia, A. & Tang, J., 2 heinäk. 2019, julkaisussa: Nucleic Acids Research. 47, W1, s. W43-W51 9 Sivumäärä

Community assessment to advance computational prediction of cancer drug combinations in a pharmacogenomic screen

Menden, M. P., Wang, D., Mason, M. J., Szalai, B., Bulusu, K. C., Guan, Y., Yu, T., Kang, J., Jeon, M., Wolfinger, R., Nguyen, T., Zaslavskiy, M., Abante, J., Abecassis, B. S., Aben, N., Aghamirzaie, D., Aittokallio, T., Akhtari, F. S., Al-lazikani, B. & Alam, T. & 280 muuta, Allam, A., Allen, C., de Almeida, M. P., Altarawy, D., Alves, V., Amadoz, A., Anchang, B., Antolin, A. A., Ash, J. R., Aznar, V. R., Ba-alawi, W., Bagheri, M., Bajic, V., Ball, G., Ballester, P. J., Baptista, D., Bare, C., Bateson, M., Bender, A., Bertrand, D., Wijayawardena, B., Boroevich, K. A., Bosdriesz, E., Bougouffa, S., Bounova, G., Brouwer, T., Bryant, B., Calaza, M., Calderone, A., Calza, S., Capuzzi, S., Carbonell-Caballero, J., Carlin, D., Carter, H., Castagnoli, L., Celebi, R., Cesareni, G., Chang, H., Chen, G., Chen, H., Chen, H., Cheng, L., Chernomoretz, A., Chicco, D., Cho, K.-H., Cho, S., Choi, D., Choi, J., Choi, K., Choi, M., Cock, M. D., Coker, E., Cortes-Ciriano, I., Cserző, M., Cubuk, C., Curtis, C., Daele, D. V., Dang, C. C., Dijkstra, T., Dopazo, J., Draghici, S., Drosou, A., Dumontier, M., Ehrhart, F., Eid, F.-E., ElHefnawi, M., Elmarakeby, H., van Engelen, B., Engin, H. B., de Esch, I., Evelo, C., Falcao, A. O., Farag, S., Fernandez-Lozano, C., Fisch, K., Flobak, A., Fornari, C., Foroushani, A. B. K., Fotso, D. C., Fourches, D., Friend, S., Frigessi, A., Gao, F., Gao, X., Gerold, J. M., Gestraud, P., Ghosh, S., Gillberg, J., Godoy-Lorite, A., Godynyuk, L., Godzik, A., Goldenberg, A., Gomez-Cabrero, D., Gonen, M., de Graaf, C., Gray, H., Grechkin, M., Guimera, R., Guney, E., Haibe-Kains, B., Han, Y., Hase, T., He, D., He, L., Heath, L. S., Hellton, K. H., Helmer-Citterich, M., Hidalgo, M. R., Hidru, D., Hill, S. M., Hochreiter, S., Hong, S., Hovig, E., Hsueh, Y.-C., Hu, Z., Huang, J. K., Huang, R. S., Hunyady, L., Hwang, J., Hwang, T. H., Hwang, W., Hwang, Y., Isayev, O., Don't Walk, O. B., Jack, J., Jahandideh, S., Ji, J., Jo, Y., Kamola, P. J., Kanev, G. K., Karacosta, L., Karimi, M., Kaski, S., Kazanov, M., Khamis, A. M., Khan, S. A., Kiani, N. A., Kim, A., Kim, J., Kim, J., Kim, K., Kim, S., Kim, Y., Kim, Y., Kirk, P. D. W., Kitano, H., Klambauer, G., Knowles, D., Ko, M., Kohn-Luque, A., Kooistra, A. J., Kuenemann, M. A., Kuiper, M., Kurz, C., Kwon, M., van Laarhoven, T., Laegreid, A., Lederer, S., Lee, H., Lee, J., Lee, Y. W., Lepp_aho, E., Lewis, R., Li, J., Li, L., Liley, J., Lim, W. K., Lin, C., Liu, Y., Lopez, Y., Low, J., Lysenko, A., Machado, D., Madhukar, N., Maeyer, D. D., Malpartida, A. B., Mamitsuka, H., Marabita, F., Marchal, K., Marttinen, P., Mason, D., Mazaheri, A., Mehmood, A., Mehreen, A., Michaut, M., Miller, R. A., Mitsopoulos, C., Modos, D., Moerbeke, M. V., Moo, K., Motsinger-Reif, A., Movva, R., Muraru, S., Muratov, E., Mushthofa, M., Nagarajan, N., Nakken, S., Nath, A., Neuvial, P., Newton, R., Ning, Z., Niz, C. D., Oliva, B., Olsen, C., Palmeri, A., Panesar, B., Papadopoulos, S., Park, J., Park, S., Park, S., Pawitan, Y., Peluso, D., Pendyala, S., Peng, J., Perfetto, L., Pirro, S., Plevritis, S., Politi, R., Poon, H., Porta, E., Prellner, I., Preuer, K., Pujana, M. A., Ramnarine, R., Reid, J. E., Reyat, F., Richardson, S., Ricketts, C., Rieswijk, L., Rocha, M., Rodriguez-Gonzalvez, C., Roell, K., Rotroff, D., de Ruyter, J. R., Fukawa, P., Sadacca, B., Safikhani, Z., Safitri, F., Sales-Pardo, M., Sauer, S., Schlichting, M., Seoane, J. A., Serra, J., Shang, M.-M., Sharma, A., Sharma, H., Shen, Y., Shiga, M., Shin, M., Shin, M., Shkedy, Z., Shopsowitz, K., Sinai, S., Skola, D., Smirnov, P., Soerensen, I. F., Soerensen, P., Song, J.-H., Song, S. O., Soufan, O., Spitzmueller, A., Steipe, B., Suphailai, C., Tamayo, S. P., Tamborero, D., Tang, J., Tanoli, Z.-U.-R., Tarres-Deulofeu, M., Tegner, J., Thommesen, L., Tonekaboni, S. A. M., Tran, H., Troyer, E. D., Truong, A., Tsunoda, T., Turu, G., Tzeng, G.-Y., Verbeke, L., Videla, S. & Consortium, A.-S. D. C. D., 17 kesäk. 2019, julkaisussa: Nature Communications. 10, 1, 17 Sivumäärä, 2674.

Drug combination sensitivity scoring facilitates the discovery of synergistic and efficacious drug combinations in cancer

Malyutina, A., Majumder, M. M., Wang, W., Pessia, A., Heckman, C. A. & Tang, J., 20 toukok. 2019, julkaisussa: PLoS Computational Biology. 15, 5, 19 Sivumäärä, 1006752.

Loss-of-function mutations with circadian rhythm regulator Per1/Per2 lead to premature ovarian insufficiency

Zheng, Y., Liu, C., Li, Y., Jiang, H., Yang, P., Tang, J., Xu, Y., Wang, H. & He, Y., huhtik. 2019, julkaisussa: *Biology of Reproduction*. 100, 4, s. 1066-1072 7 Sivumäärä

Making Sense of the Epigenome Using Data Integration Approaches

Cazaly, E., Saad, J., Wang, W., Heckman, C., Ollikainen, M. & Tang, J., 19 helmik. 2019, julkaisussa: *Frontiers in Pharmacology*. 10, 15 Sivumäärä, 126.

Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents

Javarappa, K. K., Tsallos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 3 jouluk. 2018.

Drug Target Commons 2.0: a community platform for systematic analysis of drug target interaction profiles

Tanoli, Z., Alam, Z., Vähä-Koskela, M., Ravikumar, B., Malyutina, A., Jaiswal, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 13 syysk. 2018, julkaisussa: *Database-The journal of biological databases and curation*. 13 Sivumäärä, 083.

Patient-Customized Drug Combination Prediction and Testing for T-cell Prolymphocytic Leukemia Patients

He, L., Tang, J., Andersson, E. I., Timonen, S., Koschmieder, S., Wennerberg, K., Mustjoki, S. & Aittokallio, T., 1 toukok. 2018, julkaisussa: *Cancer Research*. 78, 9, s. 2407-2418 12 Sivumäärä

Discovery of novel drug sensitivities in T-PLL by high-throughput ex vivo drug testing and mutation profiling

Andersson, E. I., Pützer, S., Yadav, B., Dufva, O., Khan, S., He, L., Sellner, L., Schrader, A., Crispatzu, G., Oleś, M., Zhang, H., Adnan-Awad, S., Lagström, S., Bellanger, D., Mpindi, J. P., Eldfors, S., Pemovska, T., Pietarinen, P., Lauhio, A. & Tomska, K. & 19 muuta, Cuesta-Mateos, C., Faber, E., Koschmieder, S., Brümmendorf, T. H., Kytölä, S., Savolainen, E.-R., Siitonen, T., Ellonen, P., Kallioniemi, O., Wennerberg, K., Ding, W., Stern, M.-H., Huber, W., Anders, S., Tang, J., Aittokallio, T., Zenz, T., Herling, M. & Mustjoki, S., maalisk. 2018, julkaisussa: *Leukemia*. 32, 3, s. 774-787 14 Sivumäärä

Drug Target Commons: A Community Effort to Build a Consensus Knowledge Base for Drug-Target Interactions

Tang, J., Tanoli, Z.-U.-R., Ravikumar, B., Alam, Z., Rebane, A., Vähä-Koskela, M., Peddinti, G., van Adrichem, A. J., Wakkinen, J., Jaiswal, A., Karjalainen, E., Gautam, P., He, L., Parri, E., Khan, S., Gupta, A., Ali, M., Yetukuri, L., Gustavsson, A.-L. & Seashore-Ludlow, B. & 6 muuta, Hersey, A., Leach, A. R., Overington, J. P., Repasky, G., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 15 helmik. 2018, julkaisussa: *Cell chemical biology*. 25, 2, s. 224-+ 8 Sivumäärä

Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents

Javarappa, K. K., Tsallos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa: *Blood*. 132

Methods for High-throughput Drug Combination Screening and Synergy Scoring

He, L., Kuleskiy, E., Saarela, J. S., Turunen, L. L., Wennerberg, J. K., Aittokallio, T. A. & Tang, J., 2018, *Cancer Systems Biology*. von Stechow, L. (toim.). New York: Humana press, s. 351-398 48 Sivumäärä (Methods in molecular biology; nro 1711).

Multi-Parametric Single Cell Profiling Defines Distinct Drug Responses in Healthy Hematological Cell Lineages That Are Retained in Corresponding Malignant Cell Types

Majumder, M., Leppä, A.-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Bazou, D., Andersson, E. I., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O.-P., Mustjoki, S. M., O'Gorman, P., Wennerberg, J. K., Porkka, K. V. K., Gjertsen, B.-T. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa: *Blood*. 132

A Community Challenge for Inferring Genetic Predictors of Gene Essentialities through Analysis of a Functional Screen of Cancer Cell Lines

Gönen, M., Weir, B. A., Cowley, G. S., Vazquez, F., Guan, Y., Jaiswal, A., Karasuyama, M., Uzunangelov, V., Wang, T., Tsherniak, A., Howell, S., Marbach, D., Hoff, B., Norman, T. C., Airola, A., Bivol, A., Bunte, K., Carlin, D., Chopra, S. & Deran, A. & 26 muuta, Ellrott, K., Gopalacharyulu, P., Graim, K., Kaski, S., Khan, S. A., Newton, Y., Ng, S., Pahikkala, T., Paull, E., Sokolov, A., Tang, H., Tang, J., Wennerberg, K., Xie, Y., Zhan, X., Zhu, F., Aittokallio, T., Mamitsuka, H., Stuart, J. M., Boehm, J. S., Root, D. E., Xiao, G., Stolovitzky, G., Hahn, W. C., Margolin, A. A. & Broad-DREAM Community, 22 marrask. 2017, julkaisussa: *Cell Systems*. 5, 5, s. 485-+ 16 Sivumäärä

The inconvenience of data of convenience: computational research beyond post-mortem analyses

Azencott, C.-A., Aittokallio, T., Roy, S., Norman, T., Friend, S., Stolovitzky, G., Goldenberg, A., DREAM Idea Challenge Consortium & Tang, J., lokak. 2017, julkaisussa: *Nature methods*. 14, 10, s. 937-938 2 Sivumäärä

JAK1/2 and BCL2 inhibitors synergize to counteract bone marrow stromal cell-induced protection of AML

Karjalainen, R., Pemovska, T., Popa, M., Liu, M., Javarappa, K. K., Majumder, M. M., Yadav, B., Tamborero, D., Tang, J., Bychkov, D., Kontro, M., Parsons, A., Suvela, M., Safont, M. M., Porkka, K., Aittokallio, T., Kallioniemi, O., McCormack, E., Gjertsen, B. T. & Wennerberg, K. & 2 muuta, Knowles, J. & Heckman, C. A., 10 elok. 2017, julkaisussa: *Blood*. 130, 6, s. 789-802 14 Sivumäärä

SynergyFinder: a web application for analyzing drug combination dose-response matrix data

Ianevski, A., He, L., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 elok. 2017, julkaisussa: *Bioinformatics*. 33, 15, s. 2413-2415 3 Sivumäärä

Seed-effect modeling improves the consistency of genome-wide loss-of-function screens and identifies synthetic lethal vulnerabilities in cancer cells

Jaiswal, A., Peddinti, G., Akimov, Y., Wennerberg, K., Kuznetsov, S., Tang, J. & Aittokallio, T., 1 kesäk. 2017, julkaisussa: *Genome medicine*. 9, 15 Sivumäärä, 51.

Treatment of novel IL17A inhibitor in glioblastoma implementing 3rd generation co-culture cell line and patient-derived tumor model

Khan, M. S. S., Asif, M., Basheer, M. K. A., Kang, C. W., Al-Suede, F. S., Ein, O. C., Tang, J., Majid, A. S. A. & Majid, A. M. S. A., 15 toukok. 2017, julkaisussa: *European Journal of Pharmacology*. 803, s. 24-38 15 Sivumäärä

Systematic drug sensitivity testing reveals synergistic growth inhibition by dasatinib or mTOR inhibitors with paclitaxel in ovarian granulosa cell tumor cells

Haltia, U.-M., Andersson, N., Yadav, B., Farkkila, A., Kuleskiy, E., Kankainen, M., Tang, J., Butzow, R., Riska, A., Leminen, A., Heikinheimo, M., Kallioniemi, O., Unkila-Kallio, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Anttonen, M., maalisk. 2017, julkaisussa: *Gynecologic Oncology*. 144, 3, s. 621-630 10 Sivumäärä

Informatics Approaches for Predicting, Understanding, and Testing Cancer Drug Combinations

Tang, J., 2017, *Kinase Signaling Networks*. Tan, A.-C. & Huang, P. H. (toim.). 1st ed. toim. New York: Humana press, s. 485-506 22 Sivumäärä (*Methods in Molecular Biology*; painos 1636).

Crowdsourced assessment of common genetic contribution to predicting anti-TNF treatment response in rheumatoid arthritis

Sieberts, S. K., Zhu, F., Garcia-Garcia, J., Stahl, E., Pratap, A., Pandey, G., Pappas, D., Aguilar, D., Anton, B., Bonet, J., Eksi, R., Fornes, O., Guney, E., Li, H., Marin, M. A., Panwar, B., Planas-Iglesias, J., Poglayen, D., Cui, J. & Falcao, A. O. & 31 muuta, Suver, C., Hoff, B., Balagurusamy, V. S. K., Dillenberger, D., Neto, E. C., Norman, T., Aittokallio, T., Ammad-ud-din, M., Azencott, C.-A., Bellon, V., Boeva, V., Bunte, K., Chheda, H., Cheng, L., Corander, J., Dumontier, M., Goldenberg, A., Gopalacharyulu, P., Hajiloo, M., Hidru, D., Jaiswal, A., Kaski, S., Khalfaoui, B., Khan, S. A., Kramer, E. R., Martinen, P., Pirinen, M., Saarela, J., Tang, J., Wennerberg, K. & Rheumatoid Arth Challenge, elok. 2016, julkaisussa: *Nature Communications*. 7, 9 Sivumäärä, 12460.

From drug response profiling to target addiction scoring in cancer cell models

Yadav, B., Gopalacharyulu, P., Pemovska, T., Khan, S. A., Szwajda, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., lokak. 2015, julkaisussa: *Disease Models & Mechanisms*. 8, 10, s. 1255-1264 10 Sivumäärä

What is synergy? The Saariselka agreement revisited

Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 1 syysk. 2015, julkaisussa: *Frontiers in Pharmacology*. 6, 5 Sivumäärä, 181.

Systematic Mapping of Kinase Addiction Combinations in Breast Cancer Cells by Integrating Drug Sensitivity and Selectivity Profiles

Szwajda, A., Gautam, P., Karhinen, L., Jha, S. K., Saarela, J., Shakyawar, S., Turunen, L., Yadav, B., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 20 elok. 2015, julkaisussa: *Chemistry & Biology*. 22, 8, s. 1144-1155 12 Sivumäärä

TIMMA-R: an R package for predicting synergistic multi-targeted drug combinations in cancer cell lines or patient-derived samples

He, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 kesäk. 2015, julkaisussa: *Bioinformatics*. 31, 11, s. 1866-1868 3 Sivumäärä

A Bayesian Predictive Model for Clustering Data of Mixed Discrete and Continuous Type

Blomstedt, P., Tang, J., Xiong, J., Granlund, C. & Corander, J., maalisk. 2015, julkaisussa: *IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence*. 37, 3, s. 489-498 10 Sivumäärä

Toward more realistic drug-target interaction predictions

Pahikkala, T., Airola, A., Pietila, S., Shakyawar, S., Szwajda, A., Tang, J. & Aittokallio, T., maalisk. 2015, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 16, 2, s. 325-337 13 Sivumäärä

Network pharmacology applications to map the unexplored target space and therapeutic potential of natural products

Kibble, M., Saarinen, N., Tang, J., Wennerberg, K., Makela, S. & Aittokallio, T., 2015, julkaisussa: *Natural Product Reports*. 32, 8, s. 1249-1266 18 Sivumäärä

Prediction of human population responses to toxic compounds by a collaborative competition

Eduati, F., Mangravite, L. M., Wang, T., Tang, H., Bare, J. C., Huang, R., Norman, T., Kellen, M., Menden, M. P., Yang, J., Zhan, X., Zhong, R., Xiao, G., Xia, M., Abdo, N., Kosyk, O., Friend, S., Dearry, A., Simeonov, A. & Tice, R. R. & 100 muuta, Rusyn, I., Wright, F. A., Stolovitzky, G., Xie, Y., Saez-Rodriguez, J., Aittokallio, T., Alaimo, S., Amadoz, A., Ammad-ud-din, M., Azencott, C.-A., Bacardit, J., Barron, P., Bernard, E., Beyer, A., Bin, S., van Bömmel, A., Borgwardt, K., Brys, A. M., Caffrey, B., Chang, J., Chang, J., Chheda, H., Christodoulou, E. G., Clément-Ziza, M., Cohen, T., Cowherd, M., Demeyer, S., Dopazo, J., Elhard, J. D., Falcao, A. O., Ferro, A., Friedenberg, D. A., Giugno, R., Gong, Y., Gorospe, J. W., Granville, C. A., Grimm, D., Heinig, M., Hernansaiz, R. D., Hintsanen, P., Hochreiter, S., Huang, L.-C., Huska, M., Jaiswal, A., Jiao, Y., Kaski, S., Kaur, I., Khana, S. A., Klambauer, G., Krasnogor, N., Kuhn, M., Kursu, M. B., Kutum, R., Lazzarini, N., Lee, I., Leung, M. K. K., Lim, W. K., Liu, C., López, F. L., Mammana, A., Mayr, A., Michoel, T., Mongiovi, M., Moore, J. D., Mpindi, J.-P., Narasimhan, R., Opiyo, S. O., Pandey, G., Peabody, A. L., Perner, J., Poso, A., Pulvirenti, A., Rawlik, K., Reinhardt, S., Riffle, C. G., Ruderfer, D., Sander, A. J., Savage, R. S., Scornet, E., Sebastian-Leon, P., Sharan, R., Simon-Gabriel, C. J., Stoven, V., Sun, J., Tang, J., Teixeira, A. L., Tenesa, A., Vert, J.-P., Vingron, M., Walter, T., Wennerberg, K., Whalen, S., Wiśniewska, Z., Wu, Y., Xu, H., Zhang, S., Zhao, J., Zheng, W. J., Ziwei, D. & Collaboration, T.N.-N.-U. D. T., 2015, julkaisussa: *Nature Biotechnology*. 33, 9, s. 933-940 8 Sivumäärä

Searching for Drug Synergy in Complex Dose-Response Landscapes Using an Interaction Potency Model

Yadav, B., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 2015, julkaisussa: *Computational and Structural Biotechnology Journal*. 13, s. 504 - 513 10 Sivumäärä

Making Sense of Large-Scale Kinase Inhibitor Bioactivity Data Sets: A Comparative and Integrative Analysis

Tang, J., Szwajda, A., Shakyawar, S., Xu, T., Hintsanen, P., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., maalisk. 2014, julkaisussa: *Journal of Chemical Information and Modeling*. 54, 3, s. 735-743 9 Sivumäärä

Network Pharmacology Strategies Toward Multi-Target Anticancer Therapies: From Computational Models to Experimental Design Principles

Tang, J. & Aittokallio, T., tammik. 2014, julkaisussa: *Current Pharmaceutical Design*. 20, 1, s. 23-36 14 Sivumäärä

Target Inhibition Networks: Predicting Selective Combinations of Druggable Targets to Block Cancer Survival Pathways

Tang, J., Karhinen, L., Xu, T., Szwajda, A., Yadav, B., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., syysk. 2013, julkaisussa: *PLoS Computational Biology*. 9, 9, s. Article Number: e1003226 16 Sivumäärä

Genomic, Transcriptomic, and Lipidomic Profiling Highlights the Role of Inflammation in Individuals With Low High-density Lipoprotein Cholesterol

Laurila, P.-P., Surakka, I., Sarin, A.-P., Yetukuri, L., Hyotylainen, T., Söderlund, S., Naukkarinen, J., Tang, J., Kettunen, J., Mirel, D. B., Soronen, J., Lehtimäki, T., Ruukonen, A., Ehnholm, C., Eriksson, J. G., Salomaa, V., Jula, A., Raitakari, O. T., Jarvelin, M.-R. & Palotie, A. & 5 muuta, Palotie, L., Oresic, M., Jauhiainen, M., Taskinen, M.-R. & Ripatti, S., huhtik. 2013, julkaisussa: *Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology*. 33, 4, s. 847-U510 39 Sivumäärä

Phospholipids and insulin resistance in psychosis: a lipidomics study of twin pairs discordant for schizophrenia

Oresic, M., Seppänen-Laakso, T., Sun, D., Tang, J., Therman, S., Viehman, R., Mustonen, U., van Erp, T. G. M., Hyötyläinen, T., Thompson, P., Toga, A. W., Huttunen, M. O., Suvisaari, J., Kaprio, J., Lönqvist, J. & Cannon, T. D., 2012, julkaisussa: *Genome medicine*. 4, 1, 11 Sivumäärä

Association of Lipidome Remodeling in the Adipocyte Membrane with Acquired Obesity in Humans

Pietiläinen, K. H., Rog, T., Seppänen-Laakso, T., Virtue, S., Gopalacharyulu, P., Tang, J., Rodriguez-Cuenca, S., Maciejewski, A., Naukkarinen, J., Ruskeepaa, A.-L., Niemela, P. S., Yetukuri, L., Tan, C. Y., Velagapudi, V., Castillo, S., Nygren, H., Hyötyläinen, T., Rissanen, A., Kaprio, J. & Yki-Järvinen, H. & 3 muuta, Vattulainen, I., Vidal-Puig, A. & Oresic, M., 2011, julkaisussa: *PLoS Biology*. 9, 6, s. - 14 Sivumäärä

Metabolome in schizophrenia and other psychotic disorders: a general population study.

Orešič, M., Tang, J., Seppänen-Laakso, T., Mattila, I., Saarni, S. E. M., Saarni, S. I., Lönqvist, J., Sysiaho, M., Hyötyläinen, T., Perala, J. & Suvisaari, J., 2011, julkaisussa: *Genome medicine*. 3, 19, 14 Sivumäärä

Bayesian clustering of fuzzy feature vectors using a quasi-likelihood approach

Marttinen, P., Tang, J., De Baets, B., Dawyndt, P. & Corander, J., 2009, julkaisussa: *IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence*. 31, 1, s. 74-85 12 Sivumäärä

Hyper-Recombination, Diversity, and Antibiotic Resistance in Pneumococcus

Hanage, W. P., Fraser, C., Tang, J., Connor, T. R. & Corander, J., 2009, julkaisussa: *Science*. 324, 5933, s. 1454-1457 4 Sivumäärä

Identifying currents in the gene pool for bacterial populations using an integrative approach

Tang, J., Hanage, W., Fraser, C. & Corander, J., 2009, julkaisussa: *PLoS Computational Biology*. 5, 8, s. e1000455 18 Sivumäärä

Integrating post-genomic approaches as a strategy to advance our understanding of health and disease

Tang, J., Tan, C., Oresic, M. & Vidal-Puig, A., 2009, julkaisussa: *Genome medicine*. 1, 3, s. 35 1 Sivumäärä

Enhanced Bayesian modelling in BAPS software for learning genetic structures of populations

Corander, J., Marttinen, P., Siren, J. & Tang, J., 2008, julkaisussa: *BMC Bioinformatics*. 9, 14 Sivumäärä

Bayesian analysis of population structure based on linked molecular information

Corander, J. & Tang, J., 2007, julkaisussa: *Mathematical Biosciences*. 205, 1, s. 19-31 13 Sivumäärä

T-BAPS: A bayesian statistical tool for comparison of microbial communities using terminal-restriction fragment length polymorphism (T-RFLP) data

Tang, J., Tao, J., Urakawa, H. & Corander, J., 2007, julkaisussa: *Statistical applications in genetics and molecular biology*. 6, 1, s. Article 30 20 Sivumäärä

Projektit

Cancer society of Finland - Individualized drug target combinations: prediction, testing and translation

Tang, J. (Projektinjohtaja), Aittokallio, T. (Projektinjohtaja) & Wennerberg, K. (Projektinjohtaja)
01/01/2015 → 31/12/2016

DrugComb: ERC Starting Grant: Informatics approaches for the rational selection of personalized cancer drug combinations

Tang, J. (Projektinjohtaja)
01/06/2017 → 31/05/2022

EU/RIA Infra/Eatris-Connect/101130349

Scherer, A. (Projektinjohtaja) & Tang, J. (Projektinjohtaja)
European Commission
01/05/2024 → 30/04/2027

EU/RIA/Tang J_DTRIP4H_HORIZON_101188432

Tang, J. (Projektinjohtaja)
European Commission – Joint Research Centre
01/01/2025 → 31/12/2028

Farmakologisten verkkojen mallintaminen ja invaasioon liittyvien geenien lääkeseulonta kilpirauhasen papillaarisessa karsinoomassa

Tang, J. (Projektinjohtaja)
Suomen Akatemia Projektilaskutus
01/03/2023 → 28/02/2025

Juselius 2024-25_Tang Jing

Tang, J. (Projektinjohtaja)
Sigrid Juséliuksen Säätiö @003701165704@
01/05/2024 → 30/04/2025

Lääkkeiden biologisten vaikutusten ennustaminen tekoälyn perusteella

Tang, J. (Projektinjohtaja)
Suomen Akatemia
01/03/2024 → 28/02/2026

Personalizing health and care - creating medically-driven integrative bioinformatics applications focused on oncology, CNS disorders and their comorbidities

Aittokallio, T. (Principal Investigator) & Tang, J. (Projektinjohtaja)
01/05/2015 → 30/04/2017

Prediction of synergistic anticancer drug combinations and their potential side-effects by integrating transcriptional and pharmacological data

Tang, J. (Projektinjohtaja), Kibble, M. M. (Projektinjohtaja) & Aittokallio, T. (Projektinjohtaja)
01/01/2013 → 31/12/2013

ReSisTrace: Resistenttejä syöpäsoluja jäljittäen lääkeyhdistelmien rationaaliseen suunnitteluun

Tang, J. (Projektinjohtaja), Bao, J. (osallistuja), Gao, L. (osallistuja) & Zhang, H. (osallistuja)
Suomen Akatemia
01/09/2022 → 31/08/2026

CONTROL: Synthetic controllability of biological networks through understanding and engineering their control elements

Aittokallio, T. (Principal Investigator) & Tang, J. (Projektinjohtaja)
01/09/2013 → 31/08/2017

Aktiviteetit**European Bioinformatics Institute**

Tang, J. (Vieraileva tutkija)
1 jouluk. 2013 → 13 jouluk. 2013

European Bioinformatics Institute

Tang, J. (Vieraileva tutkija)
1 lokak. 2013 → 9 lokak. 2013

Blavatnik School of Computer Science, Tel-Aviv University

Tang, J. (Vieraileva tutkija)

1 marrask. 2009 → 1 jouluk. 2009