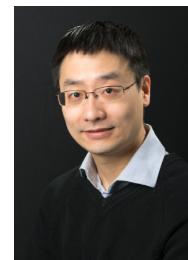


Jing Tang
Tohtori
Suomen molekyyliilääketieteen instituutti
!!Postal address:
Suomi
!!Email: jing.tang@helsinki.fi



Pätevyudet

Biometry, Docentship, Helsingin yliopisto

Statistics, PhD, Helsingin yliopisto

Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 16.02.2016 - * organisaatiossa Suomen molekyyliilääketieteen instituutti

Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 19.02.2016 - * organisaatiossa Medicum

Julkaisut

Multi-parametric single cell evaluation defines distinct drug responses in healthy hematological cells that are retained in corresponding malignant cell types

Majumder, M. M., Leppä, A-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Kopperud, R., Bazou, D., Andersson, E., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O., Mustjoki, S., O'Gorman, P., Wennerberg, K., Porkka, K., Gjertsen, B. T. & Heckman, C. A., 22 elokuuta 2019, julkaisussa : Haematologica. s. haematol.2019.217414

DrugComb: an integrative cancer drug combination data portal

Zagidullin, B., Aldahdooh, J. M. F., Zheng, S., Wang, W., Wang, Y., Saad, J., Malyutina, A., Jafari, M., Tanoli, Z-R., Pessia, A. & Tang, J., 2 heinäkuuta 2019, julkaisussa : Nucleic Acids Research. 47, W1, s. W43-W51 9 Sivumäärä

Community assessment to advance computational prediction of cancer drug combinations in a pharmacogenomic screen

Menden, M. P., Wang, D., Mason, M. J., Szalai, B., Bulusu, K. C., Guan, Y., Yu, T., Kang, J., Jeon, M., Wolfinger, R., Nguyen, T., Zaslavskiy, M., Abante, J., Abecassis, B. S., Aben, N., Aghamirzaie, D., Aittokallio, T., Akhtari, F. S., Al-lazikani, B., Alam, T. & 280 muuta Allam, A., Allen, C., de Almeida, M. P., Altarawy, D., Alves, V., Amadoz, A., Anchang, B., Antolin, A. A., Ash, J. R., Aznar, V. R., Ba-alawi, W., Bagheri, M., Bajic, V., Ball, G., Ballester, P. J., Baptista, D., Bare, C., Bateson, M., Bender, A., Bertrand, D., Wijayawardena, B., Boroevich, K. A., Bosdriesz, E., Bougouffa, S., Bounova, G., Brouwer, T., Bryant, B., Calaza, M., Calderone, A., Calza, S., Capuzzi, S., Carbonell-Caballero, J., Carlin, D., Carter, H., Castagnoli, L., Celebi, R., Cesareni, G., Chang, H., Chen, G., Chen, H., Chen, H., Cheng, L., Chernomoretz, A., Chicco, D., Cho, K-H., Cho, S., Choi, D., Choi, J., Choi, K., Choi, M., Cock, M. D., Coker, E., Cortes-Ciriano, I., Cserző, M., Cubuk, C., Curtis, C., Daele, D. V., Dang, C. C., Dijkstra, T., Dopazo, J., Draghici, S., Drosou, A., Dumontier, M., Ehrhart, F., Eid, F-E., ElHefnawi, M., Elmarakeby, H., van Engelen, B., Engin, H. B., de Esch, I., Evelo, C., Falcao, A. O., Farag, S., Fernandez-Lozano, C., Fisch, K., Flobak, A., Fornari, C., Foroushani, A. B. K., Fotso, D. C., Fourches, D., Friend, S., Frigessi, A., Gao, F., Gao, X., Gerold, J. M., Gestraud, P., Ghosh, S., Gillberg, J., Godoy-Lorite, A., Godynyuk, L., Godzik, A., Goldenberg, A., Gomez-Cabrero, D., Gonen, M., de Graaf, C., Gray, H., Grechkin, M., Guimera, R., Guney, E., Haibe-Kains, B., Han, Y., Hase, T., He, D., He, L., Heath, L. S., Hellton, K. H., Helmer-Citterich, M., Hidalgo, M. R., Hidru, D., Hill, S. M., Hochreiter, S., Hong, S., Hovig, E., Hsueh, Y-C., Hu, Z., Huang, J. K., Huang, R. S., Hunyady, L., Hwang, J., Hwang, T. H., Hwang, W., Hwang, Y., Isayev, O., Don't Walk, O. B., Jack, J., Jahandideh, S., Ji, J., Jo, Y., Kamola, P. J., Kanev, G. K., Karacosta, L., Karimi, M., Kaski, S., Kazanov, M., Khamis, A. M., Khan, S. A., Kiani, N. A., Kim, A., Kim, J., Kim, J., Kim, K., Kim, K., Kim, S., Kim, Y., Kim, Y., Kirk, P. D. W., Kitano, H., Klambauer, G., Knowles, D., Ko, M., Kohn-Luque, A., Kooistra, A. J., Kuenemann, M. A., Kuiper, M., Kurz, C., Kwon, M., van Laarhoven, T., Laegreid, A., Lederer, S., Lee, H., Lee, J., Lee, Y. W., Lepp_aho, E., Lewis, R., Li, J., Li, L., Liley, J., Lim, W. K., Lin, C., Liu, Y., Lopez, Y., Low, J., Lysenko, A., Machado, D., Madhukar, N., Maeyer, D. D., Malpartida, A. B., Mamitsuka, H., Marabita, F., Marchal, K., Martinen, P., Mason, D., Mazaheri, A., Mehmood, A., Mehreen, A., Michaut, M., Miller, R. A., Mitsopoulos, C., Modos, D., Moerbeke, M. V., Moo, K., Motsinger-Reif, A., Movva, R., Muraru, S., Muratov, E., Mushthofa, M., Nagarajan, N., Nakken, S., Nath, A., Neuvial, P., Newton, R., Ning, Z., Niz, C. D., Oliva, B., Olsen, C., Palmeri, A., Panesar, B., Papadopoulos, S., Park, J., Park, S., Park, S., Pawitan, Y., Peluso, D., Pendyala, S., Peng, J., Peretto, L., Pirro, S., Plevritis, S., Politi, R., Poon, H., Porta, E., Prellner, I., Preuer, K., Pujana, M. A., Ramnarine, R., Reid, J. E., Rey, F., Richardson, S., Ricketts, C., Rieswijk, L., Rocha, M., Rodriguez-Gonzalez, C., Roell, K., Rotroff, D., de Ruyter, J. R., Rukawa, P., Sadacca, B., Safikhani, Z., Safitri, F., Sales-Pardo, M., Sauer, S., Schlichting, M., Seoane, J. A., Serra, J., Shang, M-M., Sharma, A., Sharma, H., Shen, Y., Shiga, M., Shin, M., Shkedy, Z., Shopsowitz, K., Sinai, S., Skola, D., Smirnov, P., Soerensen, I. F., Soerensen, P., Song, J-H., Song, S. O., Soufan, O., Spitzmueller, A., Steipe, B., Suphavilai, C., Tamayo, S. P., Tamborero, D., Tang, J., Tanoli, Z-R., Tarres-Deulofeu, M., Tegner, J., Thommesen, L., Tonekaboni, S.

A. M., Tran, H., Troyer, E. D., Truong, A., Tsunoda, T., Turu, G., Tzeng, G-Y., Verbeke, L., Videla, S. & Consortium, A-S. D. C. DREAM., 17 kesäkuuta 2019, julkaisussa : Nature Communications. 10, 1, 17 Sivumäärä, 2674.

Drug combination sensitivity scoring facilitates the discovery of synergistic and efficacious drug combinations in cancer
Malyutina, A., Majumder, M. M., Wang, W., Pessia, A., Heckman, C. A. & Tang, J., 20 toukokuuta 2019, julkaisussa : PLoS Computational Biology. 15, 5, 19 Sivumäärä, 1006752.

Making Sense of the Epigenome Using Data Integration Approaches

Cazaly, E., Saad, J., Wang, W., Heckman, C., Ollikainen, M. & Tang, J., 19 helmikuuta 2019, julkaisussa : Frontiers in Pharmacology. 10, 15 Sivumäärä, 126.

Π -cyc: A Reference-free SNP Discovery Application using Parallel Graph Search

Younsi, R., Tang, J. & Holm, L. U. T., 29 tammikuuta 2019, (Julkaisematon) julkaisussa : arXiv.org .

Network pharmacology modeling identifies synergistic Aurora B and ZAK interaction in triple-negative breast cancer

Tang, J., Gautam, P., Gupta, A., He, L., Timonen, S., Akimov, Y., Wang, W., Szwajda, A., Jaiswal, A., Turei, D., Yadav, B., Kankainen, M., Saarela, J., Saez-Rodriguez, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 2019, julkaisussa : npj Systems Biology and Applications. 5, 1

Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents

Javarappa, K. K., Tsallos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 3 joulukuuta 2018.

Loss-of-function mutations with circadian rhythm regulator Per1/Per2 lead to premature ovarian insufficiency

Zheng, Y., Liu, C., Li, Y., Jiang, H., Yang, P., Tang, J., Xu, Y., Wang, H. & He, Y., 1 marraskuuta 2018, julkaisussa : Biology of Reproduction. 100, 4, s. 1066-1072 7 Sivumäärä

Drug Target Commons 2.0: a community platform for systematic analysis of drug target interaction profiles

Tanoli, Z., Alam, Z., Vähä-Koskela, M., Ravikumar, B., Malyutina, A., Jaiswal, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 13 syyskuuta 2018, julkaisussa : Database-The journal of biological databases and curation. 13 Sivumäärä, 083.

Patient-Customized Drug Combination Prediction and Testing for T-cell Prolymphocytic Leukemia Patients

He, L., Tang, J., Andersson, E. I., Timonen, S., Koschmieder, S., Wennerberg, K., Mustjoki, S. & Aittokallio, T., 1 toukokuuta 2018, julkaisussa : Cancer Research. 78, 9, s. 2407-2418 12 Sivumäärä

Discovery of novel drug sensitivities in T-PLL by high-throughput ex vivo drug testing and mutation profiling

Andersson, E. I., Pützer, S., Yadav, B., Dufva, O., Khan, S., He, L., Sellner, L., Schrader, A., Crispatzu, G., Oleś, M., Zhang, H., Adnan-Awad, S., Lagström, S., Bellanger, D., Mpindi, J. P., Eldfors, S., Pemovska, T., Pietarinen, P., Lauhio, A., Tomska, K. & 19 muuta Cuesta-Mateos, C., Faber, E., Koschmieder, S., Brümmendorf, T. H., Kytölä, S., Savolainen, E.-R., Siitonen, T., Ellonen, P., Kallioniemi, O., Wennerberg, K., Ding, W., Stern, M.-H., Huber, W., Anders, S., Tang, J., Aittokallio, T., Zenz, T., Herling, M. & Mustjoki, S., maaliskuuta 2018, julkaisussa : Leukemia. 32, 3, s. 774-787 14 Sivumäärä

Drug Target Commons: A Community Effort to Build a Consensus Knowledge Base for Drug-Target Interactions

Tang, J., Tanoli, Z-R., Ravikumar, B., Alam, Z., Rebane, A., Vähä-Koskela, M., Peddinti, G., van Adrichem, A. J., Wakkinen, J., Jaiswal, A., Karjalainen, E., Gautam, P., He, L., Parri, E., Khan, S., Gupta, A., Ali, M., Yetukuri, L., Gustavsson, A-L., Seashore-Ludlow, B. & 6 muuta Hersey, A., Leach, A. R., Overington, J. P., Repasky, G., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 15 helmikuuta 2018, julkaisussa : Cell chemical biology. 25, 2, s. 224-+ 8 Sivumäärä

Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents

Javarappa, K. K., Tsallos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa : Blood. 132

Methods for High-throughput Drug Combination Screening and Synergy Scoring

He, L., Kuleskiy, E., Saarela, J. S., Turunen, L. L., Wennerberg, J. K., Aittokallio, T. A. & Tang, J., 2018, *Cancer Systems Biology*. von Stechow, L. (toim.). New York: Humana Press, s. 351-398 48 Sivumäärä (Methods in molecular biology; nro 1711).

Multi-Parametric Single Cell Profiling Defines Distinct Drug Responses in Healthy Hematological Cell Lineages That Are Retained in Corresponding Malignant Cell Types

Majumder, M.M., Leppä, A.-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Bazou, D., Andersson, E. I., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O.-P., Mustjoki, S. M., O'Gorman, P., Wennerberg, J. K., Porkka, K. V. K., Gjertsen, B.-T. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa : *Blood*. 132

A Community Challenge for Inferring Genetic Predictors of Gene Essentialities through Analysis of a Functional Screen of Cancer Cell Lines

Gönen, M., Weir, B. A., Cowley, G. S., Vazquez, F., Guan, Y., Jaiswal, A., Karasuyama, M., Uzunangelov, V., Wang, T., Tsherniak, A., Howell, S., Marbach, D., Hoff, B., Norman, T. C., Airola, A., Bivol, A., Bunte, K., Carlin, D., Chopra, S., Deran, A. & 26 muuta Ellrott, K., Gopalacharyulu, P., Graim, K., Kaski, S., Khan, S. A., Newton, Y., Ng, S., Pahikkala, T., Paull, E., Sokolov, A., Tang, H., Tang, J., Wennerberg, K., Xie, Y., Zhan, X., Zhu, F., Aittokallio, T., Mamitsuka, H., Stuart, J. M., Boehm, J. S., Root, D. E., Xiao, G., Stolovitzky, G., Hahn, W. C., Margolin, A. A. & Broad-DREAM Community, 22 marraskuuta 2017, julkaisussa : *Cell Systems*. 5, 5, s. 485-+ 16 Sivumäärä

The inconvenience of data of convenience: computational research beyond post-mortem analyses

Azencott, C.-A., Aittokallio, T., Roy, S., Norman, T., Friend, S., Stolovitzky, G., Goldenberg, A., DREAM Idea Challenge Consortium & Tang, J., lokakuuta 2017, julkaisussa : *Nature methods*. 14, 10, s. 937-938 2 Sivumäärä

JAK1/2 and BCL2 inhibitors synergize to counteract bone marrow stromal cell-induced protection of AML

Karjalainen, R., Pemovska, T., Popa, M., Liu, M., Javarappa, K. K., Majumder, M. M., Yadav, B., Tamborero, D., Tang, J., Bychkov, D., Kontro, M., Parsons, A., Suvela, M., Safont, M. M., Porkka, K., Aittokallio, T., Kallioniemi, O., McCormack, E., Gjertsen, B. T., Wennerberg, K. & 2 muuta Knowles, J. & Heckman, C. A., 10 elokuuta 2017, julkaisussa : *Blood*. 130, 6, s. 789-802 14 Sivumäärä

SynergyFinder: a web application for analyzing drug combination dose-response matrix data

Ianevski, A., He, L., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 elokuuta 2017, julkaisussa : *Bioinformatics*. 33, 15, s. 2413-2415 3 Sivumäärä

Seed-effect modeling improves the consistency of genome-wide loss-of-function screens and identifies synthetic lethal vulnerabilities in cancer cells

Jaiswal, A., Peddinti, G., Akimov, Y., Wennerberg, K., Kuznetsov, S., Tang, J. & Aittokallio, T., 1 kesäkuuta 2017, julkaisussa : *Genome medicine*. 9, 15 Sivumäärä, 51.

Treatment of novel IL17A inhibitor in glioblastoma implementing 3rd generation co-culture cell line and patient-derived tumor model

Khan, M. S. S., Asif, M., Basheer, M. K. A., Kang, C. W., Al-Suede, F. S., Ein, O. C., Tang, J., Majid, A. S. A. & Majid, A. M. S. A., 15 toukokuuta 2017, julkaisussa : *European Journal of Pharmacology*. 803, s. 24-38 15 Sivumäärä

Systematic drug sensitivity testing reveals synergistic growth inhibition by dasatinib or mTOR inhibitors with paclitaxel in ovarian granulosa cell tumor cells

Haltia, U.-M., Andersson, N., Yadav, B., Farkkila, A., Kuleskiy, E., Kankainen, M., Tang, J., Butzow, R., Riska, A., Leminen, A., Heikinheimo, M., Kallioniemi, O., Unkila-Kallio, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Anttonen, M., maaliskuuta 2017, julkaisussa : *Gynecologic Oncology*. 144, 3, s. 621-630 10 Sivumäärä

Informatics Approaches for Predicting, Understanding, and Testing Cancer Drug Combinations

Tang, J., 2017, *Kinase Signaling Networks*. Tan, A.-C. & Huang, P. H. (toim.). 1st ed. toim. New York: Humana Press, s. 485-506 22 Sivumäärä (*Methods in Molecular Biology*; painos 1636).

Crowdsourced assessment of common genetic contribution to predicting anti-TNF treatment response in rheumatoid arthritis

Sieberts, S. K., Zhu, F., Garcia-Garcia, J., Stahl, E., Pratap, A., Pandey, G., Pappas, D., Aguilar, D., Anton, B., Bonet, J., Eksi, R., Fornes, O., Guney, E., Li, H., Marin, M. A., Panwar, B., Planas-Iglesias, J., Poglayen, D., Cui, J., Falcao, A. O. & 31 muuta Suver, C., Hoff, B., Balagurusamy, V. S. K., Dillenberger, D., Neto, E. C., Norman, T., Aittokallio, T., Ammad-uddin, M., Azencott, C.-A., Bellon, V., Boeva, V., Bunte, K., Chheda, H., Cheng, L., Corander, J., Dumontier, M., Goldenberg, A., Gopalacharyulu, P., Hajiloo, M., Hidru, D., Jaiswal, A., Kaski, S., Khalfaoui, B., Khan, S. A., Kramer, E. R., Marttinen, P., Pirinen, M., Saarela, J., Tang, J., Wennerberg, K. & Rheumatoid Arth Challenge, elokuuta 2016, julkaisussa : *Nature*

Communications. 7, 9 Sivumäärä, 12460.

From drug response profiling to target addiction scoring in cancer cell models

Yadav, B., Gopalacharyulu, P., Pemovska, T., Khan, S. A., Szwajda, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., lokakuuta 2015, julkaisussa : Disease Models & Mechanisms. 8, 10, s. 1255-1264 10 Sivumäärä

What is synergy? The Saariselka agreement revisited

Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 1 syyskuuta 2015, julkaisussa : Frontiers in Pharmacology. 6, 5 Sivumäärä, 181.

Systematic Mapping of Kinase Addiction Combinations in Breast Cancer Cells by Integrating Drug Sensitivity and Selectivity Profiles

Szwajda, A., Gautam, P., Karhinen, L., Jha, S. K., Saarela, J., Shakyawar, S., Turunen, L., Yadav, B., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 20 elokuuta 2015, julkaisussa : Chemistry & Biology. 22, 8, s. 1144-1155 12 Sivumäärä

TIMMA-R: an R package for predicting synergistic multi-targeted drug combinations in cancer cell lines or patient-derived samples

He, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 kesäkuuta 2015, julkaisussa : Bioinformatics. 31, 11, s. 1866-1868 3 Sivumäärä

A Bayesian Predictive Model for Clustering Data of Mixed Discrete and Continuous Type

Blomstedt, P., Tang, J., Xiong, J., Granlund, C. & Corander, J., maaliskuuta 2015, julkaisussa : IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence. 37, 3, s. 489-498 10 Sivumäärä

Toward more realistic drug-target interaction predictions

Pahikkala, T., Airola, A., Pietila, S., Shakyawar, S., Szwajda, A., Tang, J. & Aittokallio, T., maaliskuuta 2015, julkaisussa : Briefings in Bioinformatics. 16, 2, s. 325-337 13 Sivumäärä

Network pharmacology applications to map the unexplored target space and therapeutic potential of natural products

Kibble, M., Saarinen, N., Tang, J., Wennerberg, K., Makela, S. & Aittokallio, T., 2015, julkaisussa : Natural Product Reports. 32, 8, s. 1249-1266 18 Sivumäärä

Searching for Drug Synergy in Complex Dose-Response Landscapes Using an Interaction Potency Model

Yadav, B., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 2015, julkaisussa : Computational and Structural Biotechnology Journal. 13, s. 504 - 513 10 Sivumäärä

Making Sense of Large-Scale Kinase Inhibitor Bioactivity Data Sets: A Comparative and Integrative Analysis

Tang, J., Szwajda, A., Shakyawar, S., Xu, T., Hintsanen, P., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., maaliskuuta 2014, julkaisussa : Journal of Chemical Information and Modeling. 54, 3, s. 735-743 9 Sivumäärä

Network Pharmacology Strategies Toward Multi-Target Anticancer Therapies: From Computational Models to Experimental Design Principles

Tang, J. & Aittokallio, T., tammikuuta 2014, julkaisussa : Current Pharmaceutical Design. 20, 1, s. 23-36 14 Sivumäärä

Target Inhibition Networks: Predicting Selective Combinations of Druggable Targets to Block Cancer Survival Pathways

Tang, J., Karhinen, L., Xu, T., Szwajda, A., Yadav, B., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., syyskuuta 2013, julkaisussa : PLoS Computational Biology. 9, 9, s. Article Number: e1003226 16 Sivumäärä

Genomic, Transcriptomic, and Lipidomic Profiling Highlights the Role of Inflammation in Individuals With Low High-density Lipoprotein Cholesterol

Laurila, P-P., Surakka, I., Sarin, A-P., Yetukuri, L., Hyotylainen, T., Söderlund, S., Naukkarinen, J., Tang, J., Kettunen, J., Mirel, D. B., Soronen, J., Lehtimäki, T., Ruukonen, A., Ehnholm, C., Eriksson, J. G., Salomaa, V., Jula, A., Raitakari, O. T., Jarvelin, M-R., Palotie, A. & 5 muuta Palotie, L., Oresic, M., Jauhiainen, M., Taskinen, M-R. & Ripatti, S., huhtikuuta 2013, julkaisussa : Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology. 33, 4, s. 847-U510 39 Sivumäärä

Phospholipids and insulin resistance in psychosis: a lipidomics study of twin pairs discordant for schizophrenia

Oresic, M., Seppänen-Laakso, T., Sun, D., Tang, J., Therman, S., Viehman, R., Mustonen, U., van Erp, T. G. M., Hyötyläinen, T., Thompson, P., Toga, A. W., Huttunen, M. O., Suvisaari, J., Kaprio, J., Lönqvist, J. & Cannon, T. D., 2012, julkaisussa : Genome medicine. 4, 1, 11 Sivumäärä

Association of Lipidome Remodeling in the Adipocyte Membrane with Acquired Obesity in Humans

Pietiläinen, K. H., Rog, T., Seppänen-Laakso, T., Virtue, S., Gopalacharyulu, P., Tang, J., Rodriguez-Cuenca, S., Maciejewski, A., Naukkarinen, J., Ruskeepaa, A-L., Niemela, P. S., Yetukuri, L., Tan, C. Y., Velagapudi, V., Castillo, S., Nygren, H., Hyötyläinen, T., Rissanen, A., Kaprio, J., Yki-Järvinen, H. & 3 muuta Vattulainen, I., Vidal-Puig, A. & Oresic, M., 2011, julkaisussa : PLoS Biology. 9, 6, s. - 14 Sivumäärä

Metabolome in schizophrenia and other psychotic disorders: a general population study.

Orešič, M., Tang, J., Seppänen-Laakso, T., Mattila, I., Saarni, S. E. M., Saarni, S. I., Lönqvist, J., Sysiaho, M., Hyötyläinen, T., Perala, J. & Suvisaari, J., 2011, julkaisussa : Genome medicine. 3, 19, 14 Sivumäärä

Bayesian clustering of fuzzy feature vectors using a quasi-likelihood approach

Marttinen, P., Tang, J., De Baets, B., Dawyndt, P. & Corander, J., 2009, julkaisussa : IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence. 31, 1, s. 74-85 12 Sivumäärä

Hyper-Recombination, Diversity, and Antibiotic Resistance in Pneumococcus

Hanage, W. P., Fraser, C., Tang, J., Connor, T. R. & Corander, J., 2009, julkaisussa : Science. 324, 5933, s. 1454-1457 4 Sivumäärä

Identifying currents in the gene pool for bacterial populations using an integrative approach

Tang, J., Hanage, W., Fraser, C. & Corander, J., 2009, julkaisussa : PLoS Computational Biology. 5, 8, s. e1000455 18 Sivumäärä

Integrating post-genomic approaches as a strategy to advance our understanding of health and disease

Tang, J., Tan, C., Oresic, M. & Vidal-Puig, A., 2009, julkaisussa : Genome medicine. 1, 3, s. 35 1 Sivumäärä

Enhanced Bayesian modelling in BAPS software for learning genetic structures of populations

Corander, J., Marttinen, P., Siren, J. & Tang, J., 2008, julkaisussa : BMC Bioinformatics. 9, 14 Sivumäärä

Bayesian analysis of population structure based on linked molecular information

Corander, J. & Tang, J., 2007, julkaisussa : Mathematical Biosciences. 205, 1, s. 19-31 13 Sivumäärä

T-BAPS: A bayesian statistical tool for comparison of microbial communities using terminal-restriction fragment length polymorphism (T-RFLP) data

Tang, J., Tao, J., Urakawa, H. & Corander, J., 2007, julkaisussa : Statistical applications in genetics and molecular biology. 6, 1, s. Article 30 20 Sivumäärä

Projektit

Cancer society of Finland - Individualized drug target combinations: prediction, testing and translation

Tang, J., Aittokallio, T. & Wennerberg, K.
01/01/2015 → 31/12/2016

DrugComb: ERC Starting Grant: Informatics approaches for the rational selection of personalized cancer drug combinations

Tang, J.
01/06/2017 → 31/05/2022

Personalizing health and care - creating medically-driven integrative bioinformatics applications focused on oncology, CNS disorders and their comorbidities

Aittokallio, T. & Tang, J.

01/05/2015 → 30/04/2017

Prediction of synergistic anticancer drug combinations and their potential side-effects by integrating transcriptional and pharmacological data

Tang, J., Kibble, M. M. & Aittokallio, T.

01/01/2013 → 31/12/2013

CONTROL: Synthetic controllability of biological networks through understanding and engineering their control elements

Aittokallio, T. & Tang, J.

01/09/2013 → 31/08/2017

Aktiviteetit

European Bioinformatics Institute

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 joulukuuta 2013 → 13 joulukuuta 2013

European Bioinformatics Institute

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 lokakuuta 2013 → 9 lokakuuta 2013

Blavatnik School of Computer Science, Tel-Aviv University

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 marraskuuta 2009 → 1 joulukuuta 2009