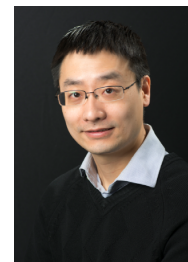


Jing Tang  
Tohtori  
Suomen molekyyliilääketieteen instituutti  
!!Postal address:  
Suomi  
!!Email: jing.tang@helsinki.fi



## Pätevyudet

Biometry, Docentship, Helsingin yliopisto  
Myöntöpäivä: 1 helmik. 2016

Statistics, PhD, Helsingin yliopisto  
Myöntöpäivä: 15 kesäk. 2009

## Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 16.02.2016 - 31.08.2019 organisaatiossa Suomen molekyyliilääketieteen instituutti

## Vastuullinen tutkija

Ajanjakso : 19.02.2016 - \* organisaatiossa Medicum

## Julkaisut

### **Resolving network clusters disparity based on dissimilarity measurements with nonmetric analysis of variance**

Malyutina, A., Tang, J. & Amiryousefi, A., 15 marrask. 2023, julkaisussa: iScience. 26, 11, 108354.

### **"Be sustainable": EOSC-Life recommendations for implementation of FAIR principles in life science data handling**

David, R., Rybina, A., Burel, J-M., Heriche, J-K., Audergon, P., Boiten, J-W., Coppens, F., Crockett, S., Exter, K., Fahrner, S., Fratelli, M., Goble, C., Gormanns, P., Grantner, T., Grüning, B., Gurwitz, K. T., Hancock, J. M., Harmse, H., Holub, P., Juty, N., & 39 muutaKarnbach, G., Karoune, E., Keppler, A., Klemeier, J., Lancelotti, C., Legras, J-L., Lister, A. L., Longo, D. L., Ludwig, R., Madon, B., Massimi, M., Matser, V., Matteoni, R., Mayrhofer, M. T., Ohmann, C., Panagiotopoulou, M., Parkinson, H., Perseil, I., Pfander, C., Pieruschka, R., Raess, M., Rauber, A., Richard, A. S., Romano, P., Rosato, A., Sánchez-Pla, A., Sansone, S-A., Sarkans, U., Serrano-Solano, B., Tang, J., Tanoli, Z., Tedds, J., Wagener, H., Weise, M., Westerhoff, H. V., Wittner, R., Ewbank, J., Blomberg, N. & Gribbon, P., 15 marrask. 2023, julkaisussa: EMBO Journal. 23 Sivumäärä, e115008.

### **A pharmacophore-guided deep learning approach for bioactive molecular generation**

Zhu, H., Zhou, R., Cao, D., Tang, J. & Li, M., 6 lokak. 2023, julkaisussa: Nature Communications. 14, 1, 11 Sivumäärä, 6234.

### **The Impact of Computational Drug Discovery on Society**

Wang, J., Li, M., Wang, E., Tang, J. & Hu, B., 1 lokak. 2023, julkaisussa: IEEE transactions on computational social systems. 10, 5, s. 2148-2159 12 Sivumäärä

### **Synergistic interactions of cytarabine-adavosertib in leukemic cell lines proliferation and metabolomic endpoints**

Rodríguez-Vázquez, G. O., Diaz-Quiñones, A. O., Chorna, N., Salgado-Villanueva, I. K., Tang, J., Ortiz, W. I. S. & Maldonado, H. M., lokak. 2023, julkaisussa: Biomedicine & Pharmacotherapy. 166, 14 Sivumäärä, 115352.

### **The impact of imputation quality on machine learning classifiers for datasets with missing values**

AIX-COVNET Collaboration, Shadbahr, T., Roberts, M., Stanczuk, J., Gilbey, J., Teare, P., Dittmer, S., Thorpe, M., Torné, R. V., Sala, E., Lió, P., Patel, M., Preller, J., Selby, I., Breger, A., Weir-McCall, J. R., Gkrania-Klotsas, E., Korhonen, A., Jefferson, E., Langs, G., & 13 muutaYang, G., Prosch, H., Babar, J., Escudero Sánchez, L., Wasson, M., Holzer, M., Walton, N., Rudd, J. H. F., Mirtti, T., Rannikko, A. S., Aston, J. A. D., Tang, J. & Schönlieb, C-B., lokak. 2023, julkaisussa: Communications Medicine. 3, 1, 15 Sivumäärä, 139.

### **Histomic and transcriptomic features of MRI-visible and invisible clinically significant prostate cancers are associated with prognosis**

Lehto, T-P. K., Pylväläinen, J., Sandeman, K., Kenttämies, A., Nordling, S., Mills, I. G., Tang, J., Mirtti, T. & Rannikko, A., 28 syysk. 2023, julkaisussa: International Journal of Cancer. 14 Sivumäärä

**Mining drug-target interactions from biomedical literature using chemical and gene descriptions based ensemble transformer model**

Aldahdooh, J., Tanoli, Z. & Tang, J., 24 heinäk. 2023, (Jätetty) julkaisussa: Journal of Cheminformatics.

**Editorial: Functional screening for cancer drug discovery: from experimental approaches to data integration**

Zhou, K., Wang, W. & Tang, J., 6 heinäk. 2023, julkaisussa: Frontiers in Genetics. 14, 3 Sivumäärä, 1201454.

**Navigating the development challenges in creating complex data systems**

AIX-COVNET Collaboration, Dittmer, S., Roberts, M., Gilbey, J., Tang, J. & Shadbahr, T., heinäk. 2023, julkaisussa: Nature Machine Intelligence. 5, 7, s. 681-686 6 Sivumäärä

**GraphscoreDTA: optimized graph neural network for protein–ligand binding affinity prediction**

Wang, K., Zhou, R., Tang, J. & Li, M., 1 kesäk. 2023, julkaisussa: Bioinformatics. 39, 6, 9 Sivumäärä, btad340.

**Harmonizing across datasets to improve the transferability of drug combination prediction**

Zhang, H., Wang, Z., Nan, Y., Zagidullin, B., Yi, D., Tang, J. & Guan, Y., 11 huhtik. 2023, julkaisussa: Communications Biology. 6, 1, 10 Sivumäärä, 397.

**drda: An R Package for Dose-Response Data Analysis Using Logistic Functions**

Malyutina, A., Tang, J. & Pessia, A., maalisk. 2023, julkaisussa: Journal of Statistical Software. 106, 4, s. 1-26 26 Sivumäärä

**[C-11]carfentanil PET imaging for studying the peripheral opioid system in vivo: effect of photoperiod on mu-opioid receptor availability in brown adipose tissue**

Sun, L., Aarnio, R., Herre, E. A., Kärnä, S., Palani, S., Virtanen, H., Liljenbäck, H., Virta, J., Honkaniemi, A., Oikonen, V., Han, C., Laurila, S., Bucci, M., Helin, S., Yarkin, E., Nummenmaa, L., Nuutila, P., Tang, J. & Roivainen, A., tammik. 2023, julkaisussa: European Journal of Nuclear Medicine and Molecular Imaging. 50, 2, s. 266–274 9 Sivumäärä

**Endothelial TIE1 Restricts Angiogenic Sprouting to Coordinate Vein Assembly in Synergy With Its Homologue TIE2**

Cao, X., Li, T., Xu, B., Ding, K., Li, W., Shen, B., Chu, M., Zhu, D., Rui, L., Shang, Z., Li, X., Wang, Y., Zheng, S., Alitalo, K., Liu, G., Tang, J., Kubota, Y. & He, Y., 2023, julkaisussa: Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology. 43, 8, s. e323–e338 16 Sivumäärä

**Special Issue on Network Pharmacology Modeling for Drug Discovery**

Tang, J., 2023, julkaisussa: Processes. 11, 7, 4 Sivumäärä, 1988.

**SynergyFinder Plus: Toward Better Interpretation and Annotation of Drug Combination Screening Datasets**

Zheng, S., Wang, W., Aldahdooh, J., Malyutina, A., Shadbahr, T., Tanoli, Z., Pessia, A. & Tang, J., 20 jouluk. 2022, julkaisussa: Genomics, Proteomics & Bioinformatics. 20, 3, s. 587-596 10 Sivumäärä

**DrugRepo: a novel approach to repurposing drugs based on chemical and genomic features**

Wang, Y., Aldahdooh, J., Hu, Y., Yang, H., Vähä-Koskela, M., Tang, J. & Tanoli, Z., jouluk. 2022, julkaisussa: Scientific Reports. 12, 1, 13 Sivumäärä, 21116.

**Interpretable prognostic modeling of endometrial cancer**

Zagidullin, B., Pasanen, A., Loukovaara, M., Bützow, R. & Tang, J., jouluk. 2022, julkaisussa: Scientific Reports. 12, 1, 11 Sivumäärä, 21543.

**Using BERT to identify drug-target interactions from whole PubMed**

Aldahdooh, J., Vähä-Koskela, M., Tang, J. & Tanoli, Z., 21 kesäk. 2022, julkaisussa: BMC Bioinformatics. 23, 1, 13 Sivumäärä, 245.

### **The ENDS of assumptions; an online tool for the Epistemic Nonparametric Drug-response Scoring**

Amiryousefi, A., Williams, B., Jafari, M. & Tang, J., kesäk. 2022, julkaisussa: *Bioinformatics*. 38, 11, s. 3132-3133 2 Sivumäärä

### **Bipartite network models to design combination therapies in acute myeloid leukaemia**

Jafari, M., Mirzaie, M., Bao, J., Barneh, F., Zheng, S., Eriksson, J., Heckman, C. A. & Tang, J., 19 huhtik. 2022, julkaisussa: *Nature Communications*. 13, 1, 12 Sivumäärä, 2128.

### **Antitumoral Effect of Plocabulin in High Grade Serous Ovarian Carcinoma Cell Line Models**

Heredia-Soto, V., Escudero, J., Miguel, M., Ruiz, P., Gallego, A., Berjón, A., Hernández, A., Martínez-Díez, M., Zheng, S., Tang, J., Hardisson, D., Feliu, J., Redondo, A. & Mendiola, M., 17 maalisk. 2022, julkaisussa: *Frontiers in oncology* . 12, 10 Sivumäärä, 862321.

### **Bayes in Wonderland! Predictive Supervised Classification Inference Hits Unpredictability**

Amiryousefi, A., Kinnula, V. & Tang, J., maalisk. 2022, julkaisussa: *Mathematics*. 10, 5, 11 Sivumäärä, 828.

### **Prognosis Stratification Tools in Early-Stage Endometrial Cancer: Could We Improve Their Accuracy?**

Ramon-Patino, J. L., Ruz-Caracuel, I., Heredia-Soto, V., Garcia de la Calle, L. E., Zagidullin, B., Wang, Y., Berjon, A., Lopez-Janeiro, A., Miguel, M., Escudero, J., Gallego, A., Castelo, B., Yebenes, L., Hernandez, A., Feliu, J., Pelaez-García, A., Tang, J., Hardisson, D., Mendiola, M. & Redondo, A., helmik. 2022, julkaisussa: *Cancers*. 14, 4, 14 Sivumäärä , 912.

### **A community challenge for a pancancer drug mechanism of action inference from perturbational profile data**

Douglass Jr., E. F., Allaway, R. J., Szalai, B., Wang, W., Tian, T., Fernández-Torras, A., Realubit, R., Karan, C., Zheng, S., Pessia, A., Tanoli, Z., Jafari, M., Wan, F., Li, S., Xiong, Y., Duran-Frigola, M., Bertoni, M., Badia-i-Mompel, P., Mateo, L., Guitart-Pla, O., & 8 muuta Chung, V., Tang, J., Zeng, J., Aloy, P., Saez-Rodriguez, J., Guinney, J., Gerhard, D. S. & Califano, A., 18 tammik. 2022, julkaisussa: *Cell Reports Medicine*. 3, 1, 20 Sivumäärä, 100492.

### **Minimal information for chemosensitivity assays (MICHA): a next-generation pipeline to enable the FAIRification of drug screening experiments**

Tanoli, Z., Aldahdooh, J., Alam, F., Wang, Y., Seemab, U., Fratelli, M., Pavlis, P., Hajduch, M., Bietrix, F., Gribbon, P., Zaliani, A., Hall, M. D., Shen, M., Brimacombe, K., Kuleskiy, E., Saarela, J., Wennerberg, K., Vähä-Koskela, M. & Tang, J., tammik. 2022, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 23, 1, 7 Sivumäärä, 350.

### **Application of microfluidic chips in anticancer drug screening**

Fan, X., Deng, Z., Yan, Y., E. Orel, V., Shypko, A., B. Orel, V., Ivanova, D., Pilarsky, C., Tang, J., Chen, Z-S. & Zhang, J., 2022, julkaisussa: *Bosnian Journal of Basic Medical Sciences*. 22, 3, s. 302-314 13 Sivumäärä

### **Eribulin activity in soft tissue sarcoma monolayer and three-dimensional cell line models: could the combination with other drugs improve its antitumoral effect?**

Escudero, J., Heredia-Soto, V., Wang, Y., Ruiz, P., Hu, Y., Gallego, A., Pozo-Kreiling, J. J., Martinez-Marin, V., Berjon, A., Ortiz-Cruz, E., Bernabeu, D., Feliu, J., Tang, J., Redondo, A. & Mendiola, M., 4 jouluk. 2021, julkaisussa: *Cancer Cell International*. 21, 1, 11 Sivumäärä, 646.

### **Vascular adhesion protein-1 defines a unique subpopulation of human hematopoietic stem cells and regulates their proliferation**

Iftakhar-e-Khuda, I., Pessia, A., Zheng, S., Kankainen, M., Kontro, M., Karikoski, M., Laurila, J., Gerke, H., Tadayon, S., Hollmén, M., Tang, J., Imhof, B. A., Salmi, M. & Jalkanen, S., jouluk. 2021, julkaisussa: *Cellular and Molecular Life Sciences*. 78, 23, s. 7851–7872 22 Sivumäärä

### **Drug repurposing for COVID-19 using graph neural network and harmonizing multiple evidence**

Hsieh, K., Wang, Y., Chen, L., Zhao, Z., Savitz, S., Jiang, X., Tang, J. & Kim, Y., 30 marrask. 2021, julkaisussa: *Scientific Reports*. 11, 1, 13 Sivumäärä, 23179.

### **Network-guided identification of cancer-selective combinatorial therapies in ovarian cancer**

He, L., Bulanova, D., Oikkonen, J., Häkkinen, A., Zhang, K., Zheng, S., Wang, W., Erkan, E. P., Carpén, O., Joutsiniemi, T., Hietanen, S., Hynninen, J., Huhtinen, K., Hautaniemi, S., Vähärautio, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 3

marrask. 2021, julkaisussa: Briefings in Bioinformatics. 22, 6, 12 Sivumäärä, 272.

#### **R-BERT-CNN: Drug-target interactions extraction from biomedical literature**

Aldahdooh, J., Tanoli, Z. & Tang, J., 2 marrask. 2021, *Proceedings of the BioCreative VII Challenge Evaluation Workshop*. s. 102-106 5 Sivumäärä

#### **Comparative analysis of molecular fingerprints in prediction of drug combination effects**

Zagidullin, B., Wang, Z., Guan, Y., Pitkänen, E. & Tang, J., marrask. 2021, julkaisussa: Briefings in Bioinformatics. 22, 6, 15 Sivumäärä, 291.

#### **Heterogeneous modulation of Bcl-2 family members and drug efflux mediate MCL-1 inhibitor resistance in multiple myeloma**

Bolomsky, A., Miettinen, J. J., Malyutina, A., Besse, A., Huber, J., Fellingner, S., Breid, H., Parsons, A., Klavins, K., Hannich, J. T., Kubicek, S., Caers, J., Hübl, W., Schreder, M., Zojer, N., Driessen, C., Tang, J., Besse, L., Heckman, C. & Ludwig, H., 26 lokak. 2021, julkaisussa: *Blood advances*. 5, 20, s. 4125-4139 15 Sivumäärä

#### **Combination Therapy with Fluoxetine and the Nucleoside Analog GS-441524 Exerts Synergistic Antiviral Effects against Different SARS-CoV-2 Variants In Vitro**

Brunotte, L., Zheng, S., Mecate-Zambrano, A., Tang, J., Ludwig, S., Rescher, U. & Schloer, S., 3 syysk. 2021, julkaisussa: *Pharmaceutics*. 13, 9, 13 Sivumäärä, 1400.

#### **Network-based modeling of herb combinations in traditional Chinese medicine**

Wang, Y., Yang, H., Chen, L., Jafari, M. & Tang, J., syysk. 2021, julkaisussa: Briefings in Bioinformatics. 22, 5, s. 1-13 13 Sivumäärä, 106.

#### **S100 Calcium Binding Protein Family Members Associate With Poor Patient Outcome and Response to Proteasome Inhibition in Multiple Myeloma**

Liu, M., Wang, Y., Miettinen, J. J., Kumari, R., Majumder, M. M., Tierney, C., Bazou, D., Parsons, A., Suvela, M., Lievonen, J., Silvennoinen, R., Anttila, P., Dowling, P., O'Gorman, P., Tang, J. & Heckman, C. A., 16 elok. 2021, julkaisussa: *Frontiers in Cell and Developmental Biology*. 9, 14 Sivumäärä, 723016.

#### **DrugComb update: a more comprehensive drug sensitivity data repository and analysis portal**

Zheng, S., Aldahdooh, J., Shadbahr, T., Wang, Y., Aldahdooh, D., Bao, J., Wang, W. & Tang, J., 2 heinäk. 2021, julkaisussa: *Nucleic Acids Research*. 49, W1, s. W174-W184 11 Sivumäärä

#### **RNA atlas of human bacterial pathogens uncovers stress dynamics linked to infection**

Avican, K., Aldahdooh, J., Togninalli, M., Mahmud, A. K. M. F., Tang, J., Borgwardt, K. M., Rhen, M. & Fällman, M., 2 kesäk. 2021, julkaisussa: *Nature Communications*. 12, 1, 14 Sivumäärä, 3282.

#### **A three-term recurrence relation for accurate evaluation of transition probabilities of the simple birth-and-death process**

Pessia, A. & Tang, J., kesäk. 2021, julkaisussa: *BIT Numerical Mathematics*. 61, 2, s. 561-585 25 Sivumäärä

#### **Drug synergy of combinatory treatment with remdesivir and the repurposed drugs fluoxetine and itraconazole effectively impairs SARS-CoV-2 infection in vitro**

Schloer, S., Brunotte, L., Mecate-Zambrano, A., Zheng, S., Tang, J., Ludwig, S. & Rescher, U., kesäk. 2021, julkaisussa: *British Journal of Pharmacology*. 178, 11, s. 2339-2350 12 Sivumäärä

#### **Identification of Celecoxib targeted proteins using label-free thermal proteome profiling on rat hippocampus**

Gholizadeh, E., Karbalaeei, R., Khaleghian, A., Salimi, M., Gilany, K., Soliymani, R., Tanoli, Z., Rezaadoost, H., Baumann, M., Jafari, M. & Tang, J., 1 toukok. 2021, julkaisussa: *Molecular pharmacology : an international journal*. 99, 5, s. 308-318 11 Sivumäärä

#### **Common pitfalls and recommendations for using machine learning to detect and prognosticate for COVID-19 using chest radiographs and CT scans**

AIX-COVNET, Roberts, M., Gozaliasl, G., Tang, J. & Shadbahr, T., maalisk. 2021, julkaisussa: *Nature Machine Intelligence*. 3, 3, s. 199-217 19 Sivumäärä

### **Seasonal variation in the brain mu-opioid receptor availability**

Sun, L., Tang, J., Liljenbäck, H., Honkaniemi, A., Virta, J., Isojärvi, J., Karjalainen, T., Kantonen, T., Nuutila, P., Hietala, J., Kaasinen, V., Kalliokoski, K., Hirvonen, J., Scheinin, H., Helin, S., Eerola, K., Savontaus, E., Yatkin, E., Rinne, J. O., Roivainen, A., & Nummenmaa, L., 10 helmik. 2021, julkaisussa: *Journal of Neuroscience*. 41, 6, s. 1265-1273 9 Sivumäärä

### **Anticancer drug synergy prediction in understudied tissues using transfer learning**

Kim, Y., Zheng, S., Tang, J., Jim Zheng, W., Li, Z. & Jiang, X., 15 tammik. 2021, julkaisussa: *Journal of the American Medical Informatics Association*. 28, 1, s. 42-51 10 Sivumäärä

### **CD73 contributes to anti-inflammatory properties of afferent lymphatic endothelial cells in humans and mice**

Eichin, D., Pessia, A., Takeda, A., Laakkonen, J., Bellmann, L., Kankainen, M., Imhof, B. A., Stoitzner, P., Tang, J., Salmi, M. & Jalkanen, S., 12 tammik. 2021, julkaisussa: *European Journal of Immunology*. 51, 1, s. 231-246 16 Sivumäärä

### **Chloroplot: An Online Program for the Versatile Plotting of Organelle Genomes**

Zheng, S., Poczar, P., Hyvönen, J., Tang, J. & Amiryousefi, A., 25 syysk. 2020, julkaisussa: *Frontiers in Genetics*. 11, 8 Sivumäärä, 576124.

### **Unsupervised Learning and Multipartite Network Models: A Promising Approach for Understanding Traditional Medicine**

Jafari, M., Wang, Y., Amiryousefi, A. & Tang, J., 26 elok. 2020, julkaisussa: *Frontiers in Pharmacology*. 11, 10 Sivumäärä, 1319.

### **Can We Assume the Gene Expression Profile as a Proxy for Signaling Network Activity?**

Piran, M., Karbalaeei, R., Piran, M., Aldahdooh, J., Mirzaie, M., Ansari-Pour, N., Tang, J. & Jafari, M., kesäk. 2020, julkaisussa: *Biomolecules*. 10, 6, 15 Sivumäärä, 850.

### **Multi-parametric single cell evaluation defines distinct drug responses in healthy hematologic cells that are retained in corresponding malignant cell types**

Majumder, M. M., Leppä, A-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Kopperud, R., Bazou, D., Andersson, E., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O., Mustjoki, S., O'Gorman, P., Wennerberg, K., Porkka, K., Gjertsen, B. T. & Heckman, C. A., kesäk. 2020, julkaisussa: *Haematologica*. 105, 6, s. 1527-1538 12 Sivumäärä

### **Exploration of databases and methods supporting drug repurposing: a comprehensive survey**

Rehman, Z. U., Seemab, U., Scherer, A., Wennerberg, K., Tang, J. & Vähä-Koskela, M., 14 helmik. 2020, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 22, 2, s. 1656-1678 23 Sivumäärä

### **Combined gene essentiality scoring improves the prediction of cancer dependency maps**

Wang, W., Malyutina, A., Pessia, A., Saarela, J., Heckman, C. A. & Tang, J., jouluk. 2019, julkaisussa: *EBioMedicine*. 50, s. 67-80 14 Sivumäärä

### **Predicting Meridian in Chinese traditional medicine using machine learning approaches**

Wang, Y., Jafari, M., Tang, Y. & Tang, J., 25 marrask. 2019, julkaisussa: *PLoS Computational Biology*. 15, 11, 21 Sivumäärä, 1007249.

### **Network pharmacology modeling identifies synergistic Aurora B and ZAK interaction in triple-negative breast cancer**

Tang, J., Gautam, P., Gupta, A., He, L., Timonen, S., Akimov, Y., Wang, W., Szwajda, A., Jaiswal, A., Turei, D., Yadav, B., Kankainen, M., Saarela, J., Saez-Rodriguez, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 8 heinäk. 2019, julkaisussa: *npj Systems Biology and Applications*. 5, 1, 11 Sivumäärä, 20.

### **DrugComb: an integrative cancer drug combination data portal**

Zagidullin, B., Aldahdooh, J., Zheng, S., Wang, W., Wang, Y., Saad, J., Malyutina, A., Jafari, M., Tanoli, Z., Pessia, A. & Tang, J., 2 heinäk. 2019, julkaisussa: *Nucleic Acids Research*. 47, W1, s. W43-W51 9 Sivumäärä

**Community assessment to advance computational prediction of cancer drug combinations in a pharmacogenomic screen**  
Menden, M. P., Wang, D., Mason, M. J., Szalai, B., Bulusu, K. C., Guan, Y., Yu, T., Kang, J., Jeon, M., Wolfinger, R., Nguyen, T., Zaslavskiy, M., Abante, J., Abecassis, B. S., Aben, N., Aghamirzaie, D., Aittokallio, T., Akhtari, F. S., Al-lazikani, B., Alam, T., & 280 muutaAllam, A., Allen, C., de Almeida, M. P., Altarawy, D., Alves, V., Amadoz, A., Anchang, B., Antolin, A. A., Ash, J. R., Aznar, V. R., Ba-alawi, W., Bagheri, M., Bajic, V., Ball, G., Ballester, P. J., Baptista, D., Bare, C., Bateson, M., Bender, A., Bertrand, D., Wijayawardena, B., Boroevich, K. A., Bosdriesz, E., Bougouffa, S., Bounova, G., Brouwer, T., Bryant, B., Calaza, M., Calderone, A., Calza, S., Capuzzi, S., Carbonell-Caballero, J., Carlin, D., Carter, H., Castagnoli, L., Celebi, R., Cesareni, G., Chang, H., Chen, G., Chen, H., Chen, H., Cheng, L., Chernomoretz, A., Chicco, D., Cho, K-H., Cho, S., Choi, D., Choi, J., Choi, K., Choi, M., Cock, M. D., Coker, E., Cortes-Ciriano, I., Cserzö, M., Cubuk, C., Curtis, C., Daele, D. V., Dang, C. C., Dijkstra, T., Dopazo, J., Draghici, S., Drosou, A., Dumontier, M., Ehrhart, F., Eid, F-E., ElHefnawi, M., Elmarakeby, H., van Engelen, B., Engin, H. B., de Esch, I., Evelo, C., Falcao, A. O., Farag, S., Fernandez-Lozano, C., Fisch, K., Flobak, A., Fornari, C., Foroushani, A. B. K., Fotso, D. C., Fouches, D., Friend, S., Frigessi, A., Gao, F., Gao, X., Gerold, J. M., Gestraud, P., Ghosh, S., Gillberg, J., Godoy-Lorite, A., Godynuk, L., Godzik, A., Goldenberg, A., Gomez-Cabrero, D., Gonen, M., de Graaf, C., Gray, H., Grechkin, M., Guimera, R., Guney, E., Haibe-Kains, B., Han, Y., Hase, T., He, D., He, L., Heath, L. S., Hellton, K. H., Helmer-Citterich, M., Hidalgo, M. R., Hidru, D., Hill, S. M., Hochreiter, S., Hong, S., Hovig, E., Hsueh, Y-C., Hu, Z., Huang, J. K., Huang, R. S., Hunyady, L., Hwang, J., Hwang, T. H., Hwang, W., Hwang, Y., Isayev, O., Don't Walk, O. B., Jack, J., Jahandideh, S., Ji, J., Jo, Y., Kamola, P. J., Kanev, G. K., Karacosta, L., Karimi, M., Kaski, S., Kazanov, M., Khamis, A. M., Khan, S. A., Kiani, N. A., Kim, A., Kim, J., Kim, J., Kim, K., Kim, K., Kim, S., Kim, Y., Kim, Y., Kirk, P. D. W., Kitano, H., Klambauer, G., Knowles, D., Ko, M., Kohn-Luque, A., Kooistra, A. J., Kuenemann, M. A., Kuiper, M., Kurz, C., Kwon, M., van Laarhoven, T., Laegreid, A., Lederer, S., Lee, H., Lee, J., Lee, Y. W., Lepp\_aho, E., Lewis, R., Li, J., Li, L., Liley, J., Lim, W. K., Lin, C., Liu, Y., Lopez, Y., Low, J., Lysenko, A., Machado, D., Madhukar, N., Maeyer, D. D., Malpartida, A. B., Mamitsuka, H., Marabita, F., Marchal, K., Marttinen, P., Mason, D., Mazaheri, A., Mehmood, A., Mehreen, A., Michaut, M., Miller, R. A., Mitsopoulos, C., Modos, D., Moerbeke, M. V., Moo, K., Motsinger-Reif, A., Movva, R., Muraru, S., Muratov, E., Mushthofa, M., Nagarajan, N., Nakken, S., Nath, A., Neuvial, P., Newton, R., Ning, Z., Niz, C. D., Oliva, B., Olsen, C., Palmeri, A., Panesar, B., Papadopoulos, S., Park, J., Park, S., Park, S., Pawitan, Y., Peluso, D., Pendyala, S., Peng, J., Perfetto, L., Pirro, S., Plevritis, S., Politi, R., Poon, H., Porta, E., Prellner, I., Preuer, K., Pujana, M. A., Ramnarine, R., Reid, J. E., Rey, F., Richardson, S., Ricketts, C., Rieswijk, L., Rocha, M., Rodriguez-Gonzalvez, C., Roell, K., Rotroff, D., de Ruyter, J. R., Rukawa, P., Sadacca, B., Safikhani, Z., Safitri, F., Sales-Pardo, M., Sauer, S., Schlichting, M., Seoane, J. A., Serra, J., Shang, M-M., Sharma, A., Sharma, H., Shen, Y., Shiga, M., Shin, M., Shkedy, Z., Shopsowitz, K., Sinai, S., Skola, D., Smirnov, P., Soerensen, I. F., Soerensen, P., Song, J-H., Song, S. O., Soufan, O., Spitzmueller, A., Steipe, B., Suphavitai, C., Tamayo, S. P., Tamborero, D., Tang, J., Tanoli, Z-R., Tarres-Deulofeu, M., Tegner, J., Thommesen, L., Tonekaboni, S. A. M., Tran, H., Troyer, E. D., Truong, A., Tsunoda, T., Turu, G., Tzeng, G-Y., Verbeke, L., Videla, S. & Consortium, A-S. D. C. DREAM., 17 kesäk. 2019, julkaisussa: Nature Communications. 10, 1, 17 Sivumäärä, 2674.

**Drug combination sensitivity scoring facilitates the discovery of synergistic and efficacious drug combinations in cancer**  
Malyutina, A., Majumder, M. M., Wang, W., Pessia, A., Heckman, C. A. & Tang, J., 20 toukok. 2019, julkaisussa: PLoS Computational Biology. 15, 5, 19 Sivumäärä, 1006752.

**Loss-of-function mutations with circadian rhythm regulator Per1/Per2 lead to premature ovarian insufficiency**  
Zheng, Y., Liu, C., Li, Y., Jiang, H., Yang, P., Tang, J., Xu, Y., Wang, H. & He, Y., huhtik. 2019, julkaisussa: Biology of Reproduction. 100, 4, s. 1066-1072 7 Sivumäärä

**Making Sense of the Epigenome Using Data Integration Approaches**  
Cazaly, E., Saad, J., Wang, W., Heckman, C., Ollikainen, M. & Tang, J., 19 helmik. 2019, julkaisussa: Frontiers in Pharmacology. 10, 15 Sivumäärä, 126.

**Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents**  
Javarappa, K. K., Tsallos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 3 jouluk. 2018.

**Drug Target Commons 2.0: a community platform for systematic analysis of drug target interaction profiles**  
Tanoli, Z., Alam, Z., Vähä-Koskela, M., Ravikumar, B., Malyutina, A., Jaiswal, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 13 syysk. 2018, julkaisussa: Database-The journal of biological databases and curation. 13 Sivumäärä, 083.

**Patient-Customized Drug Combination Prediction and Testing for T-cell Prolymphocytic Leukemia Patients**  
He, L., Tang, J., Andersson, E. I., Timonen, S., Koschmieder, S., Wennerberg, K., Mustjoki, S. & Aittokallio, T., 1 toukok. 2018, julkaisussa: Cancer Research. 78, 9, s. 2407-2418 12 Sivumäärä

### **Discovery of novel drug sensitivities in T-PLL by high-throughput ex vivo drug testing and mutation profiling**

Andersson, E. I., Pützer, S., Yadav, B., Dufva, O., Khan, S., He, L., Sellner, L., Schrader, A., Crispatsu, G., Oleś, M., Zhang, H., Adnan-Awad, S., Lagström, S., Bellanger, D., Mpindi, J. P., Eldfors, S., Pemovska, T., Pietarinen, P., Lauhio, A., Tomska, K., & 19 muutaCuesta-Mateos, C., Faber, E., Koschmieder, S., Brümmendorf, T. H., Kytölä, S., Savolainen, E.-R., Siitonen, T., Ellonen, P., Kallioniemi, O., Wennerberg, K., Ding, W., Stern, M.-H., Huber, W., Anders, S., Tang, J., Aittokallio, T., Zenz, T., Herling, M. & Mustjoki, S., maalisk. 2018, julkaisussa: *Leukemia*. 32, 3, s. 774-787 14 Sivumäärä

### **Drug Target Commons: A Community Effort to Build a Consensus Knowledge Base for Drug-Target Interactions**

Tang, J., Tanoli, Z.-R., Ravikumar, B., Alam, Z., Rebane, A., Vähä-Koskela, M., Peddinti, G., van Adrichem, A. J., Wakkinen, J., Jaiswal, A., Karjalainen, E., Gautam, P., He, L., Parri, E., Khan, S., Gupta, A., Ali, M., Yetukuri, L., Gustavsson, A.-L., Seashore-Ludlow, B., & 6 muutaHersey, A., Leach, A. R., Overington, J. P., Repasky, G., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 15 helmik. 2018, julkaisussa: *Cell chemical biology*. 25, 2, s. 224-+ 8 Sivumäärä

### **Eltrombopag Promotes Megakaryocyte Survival and Signaling in the Presence of Specific Cytotoxic Agents**

Javarappa, K. K., Tsillos, D., Zagidullin, B., Saad, J., Tang, J., Ramos, P. M., Pallaud, C. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa: *Blood*. 132

### **Methods for High-throughput Drug Combination Screening and Synergy Scoring**

He, L., Kuleskiy, E., Saarela, J. S., Turunen, L. L., Wennerberg, J. K., Aittokallio, T. A. & Tang, J., 2018, *Cancer Systems Biology*. von Stechow, L. (toim.). New York: Humana press, s. 351-398 48 Sivumäärä (Methods in molecular biology; nro 1711).

### **Multi-Parametric Single Cell Profiling Defines Distinct Drug Responses in Healthy Hematological Cell Lineages That Are Retained in Corresponding Malignant Cell Types**

Majumder, MM., Leppä, A.-M., Hellesøy, M., Dowling, P., Malyutina, A., Bazou, D., Andersson, E. I., Parsons, A., Tang, J., Kallioniemi, O.-P., Mustjoki, S. M., O'Gorman, P., Wennerberg, J. K., Porkka, K. V. K., Gjertsen, B.-T. & Heckman, C. A., 2018, julkaisussa: *Blood*. 132

### **A Community Challenge for Inferring Genetic Predictors of Gene Essentialities through Analysis of a Functional Screen of Cancer Cell Lines**

Gönen, M., Weir, B. A., Cowley, G. S., Vazquez, F., Guan, Y., Jaiswal, A., Karasuyama, M., Uzunangelov, V., Wang, T., Tsherniak, A., Howell, S., Marbach, D., Hoff, B., Norman, T. C., Airola, A., Bivol, A., Bunte, K., Carlin, D., Chopra, S., Deran, A., & 26 muutaEllrott, K., Gopalacharyulu, P., Graim, K., Kaski, S., Khan, S. A., Newton, Y., Ng, S., Pahikkala, T., Paull, E., Sokolov, A., Tang, H., Tang, J., Wennerberg, K., Xie, Y., Zhan, X., Zhu, F., Aittokallio, T., Mamitsuka, H., Stuart, J. M., Boehm, J. S., Root, D. E., Xiao, G., Stolovitzky, G., Hahn, W. C., Margolin, A. A. & Broad-DREAM Community, 22 marrask. 2017, julkaisussa: *Cell Systems*. 5, 5, s. 485-+ 16 Sivumäärä

### **The inconvenience of data of convenience: computational research beyond post-mortem analyses**

Azencott, C.-A., Aittokallio, T., Roy, S., Norman, T., Friend, S., Stolovitzky, G., Goldenberg, A., DREAM Idea Challenge Consortium & Tang, J., lokak. 2017, julkaisussa: *Nature methods*. 14, 10, s. 937-938 2 Sivumäärä

### **JAK1/2 and BCL2 inhibitors synergize to counteract bone marrow stromal cell-induced protection of AML**

Karjalainen, R., Pemovska, T., Popa, M., Liu, M., Javarappa, K. K., Majumder, M. M., Yadav, B., Tamborero, D., Tang, J., Bychkov, D., Kontro, M., Parsons, A., Suvela, M., Safont, M. M., Porkka, K., Aittokallio, T., Kallioniemi, O., McCormack, E., Gjertsen, B. T., Wennerberg, K., & 2 muutaKnowles, J. & Heckman, C. A., 10 elok. 2017, julkaisussa: *Blood*. 130, 6, s. 789-802 14 Sivumäärä

### **SynergyFinder: a web application for analyzing drug combination dose-response matrix data**

Ianevski, A., He, L., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 elok. 2017, julkaisussa: *Bioinformatics*. 33, 15, s. 2413-2415 3 Sivumäärä

### **Seed-effect modeling improves the consistency of genome-wide loss-of-function screens and identifies synthetic lethal vulnerabilities in cancer cells**

Jaiswal, A., Peddinti, G., Akimov, Y., Wennerberg, K., Kuznetsov, S., Tang, J. & Aittokallio, T., 1 kesäk. 2017, julkaisussa: *Genome medicine*. 9, 15 Sivumäärä, 51.

### **Treatment of novel IL17A inhibitor in glioblastoma implementing 3rd generation co-culture cell line and patient-derived tumor model**

Khan, M. S. S., Asif, M., Basheer, M. K. A., Kang, C. W., Al-Suede, F. S., Ein, O. C., Tang, J., Majid, A. S. A. & Majid, A. M. S. A., 15 toukok. 2017, julkaisussa: *European Journal of Pharmacology*. 803, s. 24-38 15 Sivumäärä

**Systematic drug sensitivity testing reveals synergistic growth inhibition by dasatinib or mTOR inhibitors with paclitaxel in ovarian granulosa cell tumor cells**

Haltia, U-M., Andersson, N., Yadav, B., Farkkila, A., Kuleskiy, E., Kankainen, M., Tang, J., Butzow, R., Riska, A., Leminen, A., Heikinheimo, M., Kallioniemi, O., Unkila-Kallio, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Anttonen, M., maalisk. 2017, julkaisussa: *Gynecologic Oncology*. 144, 3, s. 621-630 10 Sivumäärä

**Informatics Approaches for Predicting, Understanding, and Testing Cancer Drug Combinations**

Tang, J., 2017, *Kinase Signaling Networks*. Tan, A-C. & Huang, P. H. (toim.). 1st ed. toim. New York: Humana press, s. 485-506 22 Sivumäärä ( *Methods in Molecular Biology*; painos 1636).

**Crowdsourced assessment of common genetic contribution to predicting anti-TNF treatment response in rheumatoid arthritis**

Sieberts, S. K., Zhu, F., Garcia-Garcia, J., Stahl, E., Pratap, A., Pandey, G., Pappas, D., Aguilar, D., Anton, B., Bonet, J., Eksi, R., Fornes, O., Guney, E., Li, H., Marin, M. A., Panwar, B., Planas-Iglesias, J., Poglayen, D., Cui, J., Falcao, A. O., & 31 muuta Suver, C., Hoff, B., Balagurusamy, V. S. K., Dillenberger, D., Neto, E. C., Norman, T., Aittokallio, T., Ammad-ud-din, M., Azencott, C-A., Bellon, V., Boeva, V., Bunte, K., Chheda, H., Cheng, L., Corander, J., Dumontier, M., Goldenberg, A., Gopalacharyulu, P., Hajiloo, M., Hidru, D., Jaiswal, A., Kaski, S., Khalfaoui, B., Khan, S. A., Kramer, E. R., Marttinen, P., Pirinen, M., Saarela, J., Tang, J., Wennerberg, K. & Rheumatoid Arth Challenge, elok. 2016, julkaisussa: *Nature Communications*. 7, 9 Sivumäärä, 12460.

**From drug response profiling to target addiction scoring in cancer cell models**

Yadav, B., Gopalacharyulu, P., Pemovska, T., Khan, S. A., Szwajda, A., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., lokak. 2015, julkaisussa: *Disease Models & Mechanisms*. 8, 10, s. 1255-1264 10 Sivumäärä

**What is synergy? The Saariselka agreement revisited**

Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 1 syysk. 2015, julkaisussa: *Frontiers in Pharmacology*. 6, 5 Sivumäärä, 181.

**Systematic Mapping of Kinase Addiction Combinations in Breast Cancer Cells by Integrating Drug Sensitivity and Selectivity Profiles**

Szwajda, A., Gautam, P., Karhinen, L., Jha, S. K., Saarela, J., Shakyawar, S., Turunen, L., Yadav, B., Tang, J., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., 20 elok. 2015, julkaisussa: *Chemistry & Biology*. 22, 8, s. 1144-1155 12 Sivumäärä

**TIMMA-R: an R package for predicting synergistic multi-targeted drug combinations in cancer cell lines or patient-derived samples**

He, L., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 1 kesäk. 2015, julkaisussa: *Bioinformatics*. 31, 11, s. 1866-1868 3 Sivumäärä

**A Bayesian Predictive Model for Clustering Data of Mixed Discrete and Continuous Type**

Blomstedt, P., Tang, J., Xiong, J., Granlund, C. & Corander, J., maalisk. 2015, julkaisussa: *IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence*. 37, 3, s. 489-498 10 Sivumäärä

**Toward more realistic drug-target interaction predictions**

Pahikkala, T., Airola, A., Pietila, S., Shakyawar, S., Szwajda, A., Tang, J. & Aittokallio, T., maalisk. 2015, julkaisussa: *Briefings in Bioinformatics*. 16, 2, s. 325-337 13 Sivumäärä

**Network pharmacology applications to map the unexplored target space and therapeutic potential of natural products**

Kibble, M., Saarinen, N., Tang, J., Wennerberg, K., Makela, S. & Aittokallio, T., 2015, julkaisussa: *Natural Product Reports*. 32, 8, s. 1249-1266 18 Sivumäärä

**Prediction of human population responses to toxic compounds by a collaborative competition**

Eduati, F., Mangravite, L. M., Wang, T., Tang, H., Bare, J. C., Huang, R., Norman, T., Kellen, M., Menden, M. P., Yang, J., Zhan, X., Zhong, R., Xiao, G., Xia, M., Abdo, N., Kosyk, O., Friend, S., Deary, A., Simeonov, A., Tice, R. R., & 100 muuta Rusyn, I., Wright, F. A., Stolovitzky, G., Xie, Y., Saez-Rodriguez, J., Aittokallio, T., Alaimo, S., Amadoz, A., Ammad-ud-din, M., Azencott, C-A., Bacardit, J., Barron, P., Bernard, E., Beyers, A., Bin, S., van Bömmel, A., Borgwardt, K., Brys, A. M.,



Caffrey, B., Chang, J., Chang, J., Chheda, H., Christodoulou, E. G., Clément-Ziza, M., Cohen, T., Cowherd, M., Demeyer, S., Dopazo, J., Elhard, J. D., Falcao, A. O., Ferro, A., Friedenber, D. A., Giugno, R., Gong, Y., Gorospe, J. W., Granville, C. A., Grimm, D., Heinig, M., Hernansaiz, R. D., Hintsanen, P., Hochreiter, S., Huang, L-C., Huska, M., Jaiswal, A., Jiao, Y., Kaski, S., Kaur, I., Khana, S. A., Klambauer, G., Krasnogor, N., Kuhn, M., Kurs, M. B., Kutum, R., Lazzarini, N., Lee, I., Leung, M. K. K., Lim, W. K., Liu, C., López, F. L., Mammana, A., Mayr, A., Michael, T., Mongiovi, M., Moore, J. D., Mpindi, J-P., Narasimhan, R., Opiyo, S. O., Pandey, G., Peabody, A. L., Perner, J., Poso, A., Pulvirenti, A., Rawlik, K., Reinhardt, S., Riffle, C. G., Ruderfer, D., Sander, A. J., Savage, R. S., Scornet, E., Sebastian-Leon, P., Sharan, R., Simon-Gabriel, C. J., Stoven, V., Sun, J., Tang, J., Teixeira, A. L., Tenesa, A., Vert, J-P., Vingron, M., Walter, T., Wennerberg, K., Whalen, S., Wiśniewska, Z., Wu, Y., Xu, H., Zhang, S., Zhao, J., Zheng, W. J., Ziwei, D. & Collaboration, T. NIEHS-NCATS-UNC. DREAM. T., 2015, julkaisussa: Nature Biotechnology. 33, 9, s. 933-940 8 Sivumäärä

#### **Searching for Drug Synergy in Complex Dose–Response Landscapes Using an Interaction Potency Model**

Yadav, B., Wennerberg, K., Aittokallio, T. & Tang, J., 2015, julkaisussa: Computational and Structural Biotechnology Journal. 13, s. 504 - 513 10 Sivumäärä

#### **Making Sense of Large-Scale Kinase Inhibitor Bioactivity Data Sets: A Comparative and Integrative Analysis**

Tang, J., Szwajda, A., Shakyawar, S., Xu, T., Hintsanen, P., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., maalisk. 2014, julkaisussa: Journal of Chemical Information and Modeling. 54, 3, s. 735-743 9 Sivumäärä

#### **Network Pharmacology Strategies Toward Multi-Target Anticancer Therapies: From Computational Models to Experimental Design Principles**

Tang, J. & Aittokallio, T., tammik. 2014, julkaisussa: Current Pharmaceutical Design. 20, 1, s. 23-36 14 Sivumäärä

#### **Target Inhibition Networks: Predicting Selective Combinations of Druggable Targets to Block Cancer Survival Pathways**

Tang, J., Karhinen, L., Xu, T., Szwajda, A., Yadav, B., Wennerberg, K. & Aittokallio, T., syysk. 2013, julkaisussa: PLoS Computational Biology. 9, 9, s. Article Number: e1003226 16 Sivumäärä

#### **Genomic, Transcriptomic, and Lipidomic Profiling Highlights the Role of Inflammation in Individuals With Low High-density Lipoprotein Cholesterol**

Laurila, P-P., Surakka, I., Sarin, A-P., Yetukuri, L., Hyotylainen, T., Söderlund, S., Naukkarinen, J., Tang, J., Kettunen, J., Mirel, D. B., Soronen, J., Lehtimäki, T., Ruokonen, A., Ehnholm, C., Eriksson, J. G., Salomaa, V., Jula, A., Raitakari, O. T., Jarvelin, M-R., Palotie, A., & 5 muutaPalotie, L., Oresic, M., Jauhiainen, M., Taskinen, M-R. & Ripatti, S., huhtik. 2013, julkaisussa: Arteriosclerosis, Thrombosis, and Vascular Biology. 33, 4, s. 847-U510 39 Sivumäärä

#### **Phospholipids and insulin resistance in psychosis: a lipidomics study of twin pairs discordant for schizophrenia**

Oresic, M., Seppänen-Laakso, T., Sun, D., Tang, J., Therman, S., Viehman, R., Mustonen, U., van Erp, T. G. M., Hyötyläinen, T., Thompson, P., Toga, A. W., Huttunen, M. O., Suvisaari, J., Kaprio, J., Lönnqvist, J. & Cannon, T. D., 2012, julkaisussa: Genome medicine. 4, 1, 11 Sivumäärä

#### **Association of Lipidome Remodeling in the Adipocyte Membrane with Acquired Obesity in Humans**

Pietiläinen, K. H., Rog, T., Seppänen-Laakso, T., Virtue, S., Gopalacharyulu, P., Tang, J., Rodriguez-Cuenca, S., Maciejewski, A., Naukkarinen, J., Ruskeepää, A-L., Niemela, P. S., Yetukuri, L., Tan, C. Y., Velagapudi, V., Castillo, S., Nygren, H., Hyotylainen, T., Rissanen, A., Kaprio, J., Yki-Järvinen, H., & 3 muutaVattulainen, I., Vidal-Puig, A. & Oresic, M., 2011, julkaisussa: PLoS Biology. 9, 6, s. - 14 Sivumäärä

#### **Metabolome in schizophrenia and other psychotic disorders: a general population study.**

Orešič, M., Tang, J., Seppänen-Laakso, T., Mattila, I., Saarni, S. E. M., Saarni, S. I., Lönnqvist, J., Sysiaho, M., Hyotylainen, T., Perala, J. & Suvisaari, J., 2011, julkaisussa: Genome medicine. 3, 19, 14 Sivumäärä

#### **Bayesian clustering of fuzzy feature vectors using a quasi-likelihood approach**

Marttinen, P., Tang, J., De Baets, B., Dawyndt, P. & Corander, J., 2009, julkaisussa: IEEE Transactions on Pattern Analysis and Machine Intelligence. 31, 1, s. 74-85 12 Sivumäärä

#### **Hyper-Recombination, Diversity, and Antibiotic Resistance in Pneumococcus**

Hanage, W. P., Fraser, C., Tang, J., Connor, T. R. & Corander, J., 2009, julkaisussa: Science. 324, 5933, s. 1454-1457 4 Sivumäärä

**Identifying currents in the gene pool for bacterial populations using an integrative approach**

Tang, J., Hanage, W., Fraser, C. & Corander, J., 2009, julkaisussa: PLoS Computational Biology. 5, 8, s. e1000455 18 Sivumäärä

**Integrating post-genomic approaches as a strategy to advance our understanding of health and disease**

Tang, J., Tan, C., Oresic, M. & Vidal-Puig, A., 2009, julkaisussa: Genome medicine. 1, 3, s. 35 1 Sivumäärä

**Enhanced Bayesian modelling in BAPS software for learning genetic structures of populations**

Corander, J., Marttinen, P., Siren, J. & Tang, J., 2008, julkaisussa: BMC Bioinformatics. 9, 14 Sivumäärä

**Bayesian analysis of population structure based on linked molecular information**

Corander, J. & Tang, J., 2007, julkaisussa: Mathematical Biosciences. 205, 1, s. 19-31 13 Sivumäärä

**T-BAPS: A bayesian statistical tool for comparison of microbial communities using terminal-restriction fragment length polymorphism (T-RFLP) data**

Tang, J., Tao, J., Urakawa, H. & Corander, J., 2007, julkaisussa: Statistical applications in genetics and molecular biology. 6, 1, s. Article 30 20 Sivumäärä

## **Projektit**

**Cancer society of Finland - Individualized drug target combinations: prediction, testing and translation**

Tang, J., Aittokallio, T. & Wennerberg, K.  
01/01/2015 → 31/12/2016

**DrugComb: ERC Starting Grant: Informatics approaches for the rational selection of personalized cancer drug combinations**

Tang, J.  
01/06/2017 → 31/05/2022

**Farmakologisten verkkojen mallintaminen ja invaasioon liittyvien geenien lääkeseulonta kilpirauhasen papillaarisessa karsinoomassa**

Tang, J.  
Suomen Akatemia Projektilaskutus  
01/03/2023 → 28/02/2025

**Personalizing health and care - creating medically-driven integrative bioinformatics applications focused on oncology, CNS disorders and their comorbidities**

Aittokallio, T. & Tang, J.  
01/05/2015 → 30/04/2017

**Prediction of synergistic anticancer drug combinations and their potential side-effects by integrating transcriptional and pharmacological data**

Tang, J., Kibble, M. M. & Aittokallio, T.  
01/01/2013 → 31/12/2013

**ReSisTrace: Resistentejä syöpäsoluja jäljittäen lääkeyhdistelmien rationaaliseen suunnitteluun**

Bao, J., Gao, L. & Tang, J.  
Suomen Akatemia  
01/09/2022 → 31/08/2026

**CONTROL: Synthetic controllability of biological networks through understanding and engineering their control elements**

Aittokallio, T. & Tang, J.  
01/09/2013 → 31/08/2017

## **Aktiviteetit**

### **European Bioinformatics Institute**

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 jouluk. 2013 → 13 jouluk. 2013

### **European Bioinformatics Institute**

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 lokak. 2013 → 9 lokak. 2013

### **Blavatnik School of Computer Science, Tel-Aviv University**

Jing Tang (Vieraileva tutkija)

1 marrask. 2009 → 1 jouluk. 2009